Tumeur solide : BRAF

Pathologie et cancérologie
Année 2024

BRAF 2024

CAP

Proficiency Testing | College of American Pathologists

Fréquence : 2 X par an

Type d'entités et volume : 3 Sections de tissus paraffinés

Analyses demandées : Analyse des variants BRAF (Val600) par TAAN ou séquençage conventionnel à partir de tissus de tumeurs solides paraffinées.

Matrices : Blocs tissulaires / cellulaires (paraffine, autres)

Analytes évalués : BRAF

Type de résultats évalués : Qualitatifs

Objectifs du sous-programme : Évaluer la performance des participants effectuant la détection de polymorphismes, délétion ou insertion, d'un seul nucléotide (SNP) dans le gène BRAF (Val600) par TAAN ou séquençage conventionnel, à partir de tissus de tumeurs solides paraffinées.

Spécifications : IMPORTANT
Ce sous-programme n'est pas approprié pour les laboratoires qui utilisent le séquençage de nouvelle génération (NGS) afin d'effectuer la recherche de variants somatiques d'un seul nucléotide (SNP) pour le gène *BRAF* dans des tissus extraits de tumeurs solides.
Ces laboratoires doivent s'inscrire au **NGSST**.

Détermination des valeurs assignées : Valeurs consensuelles provenant des participants.

Sources potentielles d'erreur : Des résultats faussement négatifs peuvent survenir en raison d'une cellularité tumorale inadéquate lorsque le tissu tumoral n'est pas évalué par un pathologiste avant le test de mutation. La dissection des tissus par microdissection manuelle ou macrodissection peut être utilisée pour enrichir le contenu des cellules tumorales avant l'analyse moléculaire.

Paramètres et principes analytiques potentiellement couverts :

Paramètres analytiques	Principes analytiques
65002 - Cancers; BRAF, détection de la mutation Val600Glu (TAAN)	Détection d'acides nucléiques ~~Séquençage à haut débit~~

Calendrier 2024

Campagne	Ouverture	Fermeture
A	2024-03-18	2024-04-09

Campagne	Ouverture	Fermeture
B	2024-09-23	2024-10-23

Date d'approbation : 2023-12-18