Répertoire des activités 2027

IMPORTANT : Les calendriers des fournisseurs externes sont ajoutés dans ce répertoire à titre informatif, ils sont parfois sujets à changement. Il sera important de vous référer au site de chacun d'eux au début de 2027 afin de vous assurer des dates finales d'évaluation.

Période d'inscriptions générales pour 2027: du mardi, 6 octobre 2026 au vendredi, 30 octobre 2026.

EXCEPTION - Hématologie-cytologie - Inscriptions du jeudi, 15 octobre au vendredi, 30 octobre 2026

MODALITÉS D'INSCRIPTIONS : **Banque de sang**, **Hémato-Hémostase**, **Hémato-Cytologie**

FRAIS HORS RÉSEAU : Les laboratoires privés ou publics hors Santé-Québec doivent défrayer les coûts associés à leurs inscriptions - **Liste des prix - programmes LSPQ**

RAPPEL : Tout envoi de microorganismes pathogènes nécessite la confirmation au préalable que l'installation receveur possède un permis de l'ASPC valide. La note **Permis ASPC requis** est ajoutée à la section **Matrices** des sous-programmes touchés. N'oubliez pas de vérifier la validité de votre permis sur la page d'information de votre installation si vous désirez participer à l'un d'eux. **Liste des installations**

Programmation long terme du PEEQ : **Microbiologie**

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.1 Biochimie clinique	**BC47 - 2027 Lipides** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Apolipoprotéine A1 Apolipoprotéine B Cholestérol – HDL Cholestérol - LDL Cholestérol total Lipoprotéine (a) Triglycérides	30052 - Apolipoprotéine AI 30054 - Apolipoprotéine B 30116 - Cholestérol - HDL 30117 - Cholestérol - LDL (mesuré) 30119 - Cholestérol total 30308 - Lipoprotéine a (Lp(a)) 30512 - Triglycérides
Biochimie	01.1 Biochimie clinique	**BC31 - 2027 Gaz sanguins** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Calcium ionisé Chlorure Glucose Lactate (acide lactique) Magnésium pCO2 pH pO2 Potassium Sodium	30106 - Calcium ionisé mesuré 30115 - Chlorures 30214 - Glucose 30076 - Acide lactique (par électrode spécifique) 30212 - Gaz sanguins (pO2, pCO2, pH, HCO3, COHb, métHb, oxyHb, SulfHb, CO2 total) 30398 - Potassium 30478 - Sodium

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01. (cont.)	**BC50 - 2027 Biochimie clinique mensuel** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Acide biliaires Acide urique Alanine amino-transférase (ALT) Albumine Amylase pancréatique Amylase totale Aspartate amino-transférase (AST) Bilirubine directe Bilirubine totale Calcium ionisé mesuré Calcium total Capacité de fixation du fer totale (TIBC) Capacité de fixation du fer latente/insaturée (UIBC) Chlorures Cholestérol – HDL Cholestérol - LDL Cholestérol total Cholinestérase Cortisol CK total Créatinine Cuivre CO2 total Fer Gamma-glutamyl transférase (GGT) Glucose Acide lactique (lactate) Lactate déshydrogénase (LD) Lipase Lithium Magnésium Osmolalité Phosphatase alcaline Phosphore Potassium Protéines totales Sodium T4 libre T4 totale Transferrine Triglycérides T3 libre T3 totale TSH (hormone thyréotrope) Urée Zinc	30535 - Acide biliaires totaux (dosage) 30013 - Acide urique 30016 - Alanine amino-transférase (ALT) 30017 - Albumine 30032 - Amylase pancréatique 30030 - Amylase totale 30060 - Aspartate amino-transférase (AST) 30083 - Bilirubine directe (conjuguée) 30084 - Bilirubine totale 30106 - Calcium ionisé mesuré 30105 - Calcium total 30190 - Fer (capacité de fixation) (UIBC ou TIBC) 30115 - Chlorures 30116 - Cholestérol - HDL 30117 - Cholestérol - LDL (mesuré) 30119 - Cholestérol total 30128 - Cortisol sérique ou urinaire sans extraction 30130 - CK total 30132 - Créatinine 30124 - CO2 total ou bicarbonate (dosage seulement) 30191 - Fer (sérum) 30210 - Gamma glutamyl transférase (GGT) 30214 - Glucose 30076 - Acide lactique (par électrode spécifique) 30301 - Lactate déshydrogénase (LD) 30306 - Lipase 30692 - Lithium (Li) 30332 - Magnésium total 30362 - Osmolalité 30386 - Phosphatase alcaline 30391 - Phosphore 30398 - Potassium 30405 - Protéines totales (sérum) 30478 - Sodium 30502 - T4L (thyroxine libre) 30511 - Transferrine 30512 - Triglycérides 30500 - T3 total (triiodothyronine totale) ou libre 30516 - TSH (hormone thyréotrope) 30531 - Urée 30980 - Zinc (spectrophotométrie)
	(cont'd)1 Biochimie clinique 01.2 Biochimie hormone 01.4 Biochimie médicament 01.5 Biochimie toxicologie					(cont'd)
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 05.5 Hématologie hémostase	**BC39 - 2027 Marqueurs cardiaques** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Brain Natriuretic Peptide (BNP) CK-MB masse Homocystéine Protéine C réactive haute sensibilité (hsCRP) NT-PRO-BNP (Brain Natriuretic Peptide) Troponine I Troponine T D-dimères	30085 - BNP (Brain Natriuretic Peptide) 30123 - CK-MB masse 30235 - Homocystéine (immuno-enzymatique) 30412 - Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible) 30095 - NT-PRO-BNP (Brain Natriuretic Peptide) 30513 - Troponine T ou I 20062 - D-Dimère (automatisé)
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 05.3 Hématologie érythrocytaire	**BC80 - 2027 Hémoglobine** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Hémoglobine glyquée (HbA1c) Hémoglobine A2	30248 - Hémoglobine glyquée (HbA1c) 20902 - Hémoglobine A2

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.4 Biochimie médicament 01.5 Biochimie toxicologie	**BC10 - 2027 Suivi des médicaments** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Caféine Acétaminophène Acide valproïque Amikacine Carbamazépine Digoxine Ethosuximide Gentamicine Lithium Méthotrexate Phénobarbital Phénytoïne Primidone Salicylates Théophylline Tobramycine Vancomycine Dépistage des antidépresseurs tricycliques (TCA)	30600 - Acétaminophène 30601 - Acide valproïque 30602 - Amikacine 30103 - Caféine 30630 - Carbamazépine 30607 - Antidépresseurs tricycliques (autre que bandelette) (automatisé) (immunoenzymatique) 30640 - Digoxine 30178 - Ethosuximide (Zarontin®) 30671 - Gentamicine 30692 - Lithium (Li) 30702 - Méthotrexate 30730 - Phénobarbital 30731 - Phénytoïne 30733 - Primidone (incluant phénobarbital) (Mysoline®) 30760 - Salicylates 30771 - Théophylline 30773 - Tobramycine 30780 - Vancomycine
Biochimie	01.1 Biochimie clinique	**12000810 - 2027 Urinalysis** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Albumine Bilirubine Corps cétoniques Créatinine Densité Glucose Grossesse (hCG) Leucocytes Nitrite pH Protéines totales Sang/hémoglobine Urobilinogène	30337 - Microalbumine (urine) 30533 - Urine (examen sommaire) 30132 - Créatinine
Biochimie	01.2 Biochimie hormone 01.1 Biochimie clinique	**BC45 - 2027 Chimie urinaire** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Acide urique Urée Calcium total Chlorures Créatinine Glucose Magnésium Albumine Osmolalité Phosphore Potassium Protéines totales Sodium Acide homovanillique (HVA) Acide hydroxy-5 indol-acétique (5-HIAA) Acide vanylmandélique (VMA) Cortisol libre Métanéphrine Dopamine Épinéphrine Norépinéphrine Normétanéphrine	30245 - 5-HIAA -HVA-VMA 30013 - Acide urique 30531 - Urée 30105 - Calcium total 30115 - Chlorures 30127 - Cortisol libre urinaire incluant extraction 30132 - Créatinine 30329 - Catécholamines et métanéphrines libres (urine) 30214 - Glucose 30332 - Magnésium total 30336 - Métanéphrines (urine) 30337 - Microalbumine (urine) 30362 - Osmolalité 30391 - Phosphore 30398 - Potassium 30404 - Protéines totales (autres liquides) 30478 - Sodium
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 01.5 Biochimie toxicologie	**BC35 - 2027 Éthanol/Ammoniac** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Ammoniac Éthanol	30029 - Ammoniac 30177 - Éthanol (alcool éthylique)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01. (cont.)	**BC75 - 2027 Mensuel d'immunoessais** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Vitamine D 25-OH Enzyme de conversion angiotensine (ACE) Alpha foetoprotéine (AFP) Antigène carcino-embryonnaire (CEA) CA 125 CA 15-3 ou 27-29 CA 19-9 CA 27.29 Ferritine Acide folique (folates) Fructosamine Immunoglobuline E (IgE) Antigène prostatique libre (PSA libre) Antigène prostatique spécifique (PSA spécifique) Transferrine Vitamine B12 Bêta-2 microglobuline 11-Déoxycortisol 17-Hydroxyprogestérone Hormone adrénocorticotropique (ACTH) Aldostérone Androstènedione Peptide C Calcitonine Cortisol DHEA Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S) Hormone folliculo-stimulante (FSH) Gastrine Hormone gonadotrope chorionique (HCG) Hormone de croissance (HGH) Insuline Hormone lutéinisante (LH) Estradiol Progestérone Prolactine Hormone parathyroïdienne (PTH) Rénine Sex hormone binding globulin (SHBG) Testostérone Thyroglobuline Thyroxine Binding Globulin (TBG) T4 libre T3 libre T3 totale TSH (hormone thyréotrope) Acide valproïque Carbamazépine Digoxine Phénobarbital Phénytoïne Théophylline Estriol libre Activité rénine plasmatique (PRA) Testostérone libre	30077 - Bloc surrénalien (prégnénolone, 17-OH prégnénolone, 17-OH progestérone et 11-désoxycortisol) 30556 - Vitamine D 25 OH 30176 - Enzyme de conversion angiotensine (ACE) 30401 - Progestérone (17-hydroxy) 30601 - Acide valproïque 30237 - Hormone adrénocorticotropique (ACTH) 30020 - Aldostérone (sérique) 30022 - Alpha foetoprotéine (AFP) 30034 - Androstènedione 30038 - Antigène carcino-embryonnaire (CEA) 30382 - Peptide C 30100 - CA 125 30101 - CA 15-3 ou 27-29 30102 - CA 19-9 30104 - Calcitonine 30630 - Carbamazépine 30128 - Cortisol sérique ou urinaire sans extraction 30150 - Déhydroépiandrostérone (DHEA) 30151 - Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S) 30193 - Ferritine 30009 - Acide folique (folates) 30196 - Fructosamine 30240 - Hormone folliculo-stimulante (FSH) 30211 - Gastrine 30242 - Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum) (quantitatif) 30239 - Hormone de croissance (HGH) 30276 - Immunoglobulines IgE totale 30283 - Insuline 30243 - Hormone lutéinisante (LH) 30360 - Oestradiol-17B 30140 - Estriol libre 30730 - Phénobarbital 30731 - Phénytoïne 30400 - Progestérone 30402 - Prolactine 30407 - Antigène prostatique libre (PSA) 30039 - Antigène prostatique spécifique (PSA) 30244 - Hormone parathyroïdienne (PTH) 30450 - Rénine 30477 - Sex hormone binding globulin (SHBG) 30506 - Testostérone totale 30771 - Théophylline 30508 - Thyroglobuline 30502 - T4L (thyroxine libre) 30511 - Transferrine 30500 - T3 total (triiodothyronine totale) ou libre 30516 - TSH (hormone thyréotrope) 30553 - Vitamine B12 30080 - Bêta-2 microglobuline (ß2-M)
	(cont'd)2 Biochimie hormone 01.1 Biochimie clinique 01.4 Biochimie médicament 03.1 Dépistage prénatal				(cont'd)	(cont'd)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 05.7 Hématologie immunologie 01.3 Biochimie immunologie	**BC23 - 2027 Protéines sériques** Bio-Rad	1 à 12	2027-01-01	Alpha-1-antitrypsine Albumine Céruloplasmine Chaîne légère kappa (totale) Chaîne légère lambda (totale) Immunoglobuline A (IgA) Immunoglobuline E (IgE) Immunoglobuline G (IgG) Immunoglobuline M (IgM) Préalbumine Protéine C réactive (CRP) Protéines totales Transferrine Bêta-2 microglobuline Facteur rhumatoïde Complément C3 Complément C4 Haptoglobine Alpha-2 macroglobuline Antistreptolysine O (ASO)	30065 - Alpha-1-antitrypsine (sérique) 30017 - Albumine 30114 - Céruloplasmine 30285 - Chaines légères libres (Kappa/Lambda) (sériques) 20776 - Complément C3 (antigène) 20777 - Complément C4 (antigène) 40800 - Facteur rhumatoïde (RA) 20390 - Haptoglobine 30273 - Immunoglobulines IgA 30276 - Immunoglobulines IgE totale 30277 - Immunoglobulines IgG 30279 - Immunoglobulines IgM 30399 - Préalbumine 30412 - Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible) 30404 - Protéines totales (autres liquides) 30511 - Transferrine 20001 - Alpha-2 macroglobuline (antigène) 30080 - Bêta-2 microglobuline (ß2-M)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**01-AZF-27 Microdélétion du chromosome Y** EMQN	A	2027-01-05	Précision du génotypage - AZF Qualité de l'interprétation clinique - AZF Précision cléricale rapport - AZF	55228 - Infertilité mâle microdélétion du chromosome Y (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**01-FH-27 Hypercholestérolémie familiale autosomique dominante** EMQN	A	2027-01-05	Précision du génotypage - FH Qualité de l'interprétation clinique - FH Précision cléricale rapport - FH	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 55041 - Panel global de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) (technique seulement) 75031 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène) 55420 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**01-HBOC-NOOP-27 Cancer héréditaire du sein et de l'ovaire (Panel)** EMQN	A	2027-01-05	Précision du génotypage - HBOC(PANEL) Qualité de l'interprétation clinique - HBOC(PANEL) Précision cléricale rapport - HBOC(PANEL)	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75031 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène) 55420 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation) 75020 - Séquençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**01-LYNCH-27 Cancer héréditaire colorectal sans polypose (Syndrome de Lynch)** EMQN	A	2027-01-05	Précision du génotypage - LYNCH Qualité de l'interprétation clinique - LYNCH Précision cléricale rapport - LYNCH	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**01-FAP-MAP-27 Syndromes de polypose (FAP, MAP)** EMQN	A	2027-01-05	Précision du génotypage - POLYPOSIS Qualité de l'interprétation clinique - POLYPOSIS Précision cléricale rapport - POLYPOSIS	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement) 75020 - Séquençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**01-CARD-27 Génétique cardiaque** EMQN	Option Arythmies cardiaques seulement	2027-01-05	Précision cléricale rapport - CARDIAC(ARR) Précision du génotypage - CARDIAC(ARR) Qualité de l'interprétation clinique - CARDIAC(ARR)	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 55420 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement) 55422 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 21-100 gènes (interprétation seulement) 55423 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 101-500 gènes (interprétation seulement) 55426 - Interprétation SNG élargissement à l'exome après un panel virtuel de gènes (interprétation seulement) 75031 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène) 55039 - Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**01-CARD-27 Génétique cardiaque** EMQN	Option Cardiomyopathies seulement	2027-01-05	Précision cléricale rapport - CARDIAC(HCM) Précision du génotypage - CARDIAC(HCM) Qualité de l'interprétation clinique - CARDIAC(HCM)	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 55420 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement) 55422 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 21-100 gènes (interprétation seulement) 55423 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 101-500 gènes (interprétation seulement) 55426 - Interprétation SNG élargissement à l'exome après un panel virtuel de gènes (interprétation seulement) 75031 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène) 55039 - Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**01-CARD-27 Génétique cardiaque** EMQN	Option Arythmies ET Cardiomyopathies	2027-01-05	Précision cléricale rapport - CARDIAC(ARR) Précision du génotypage - CARDIAC(ARR) Qualité de l'interprétation clinique - CARDIAC(ARR) Précision cléricale rapport - CARDIAC(HCM) Précision du génotypage - CARDIAC(HCM) Qualité de l'interprétation clinique - CARDIAC(HCM)	75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 55420 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement) 55421 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement) 55422 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 21-100 gènes (interprétation seulement) 55423 - Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 101-500 gènes (interprétation seulement) 55426 - Interprétation SNG élargissement à l'exome après un panel virtuel de gènes (interprétation seulement) 75031 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène) 55039 - Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGL2-27 Coagulation - Routine, Rapport pour 2e appareil** CAP	A	2027-01-19	Activated PTT - Seconds Prothrombin Time - Seconds Calculated International Normalized Ratio Direct International Normalized Ratio D-dimer Quantitative Fibrinogen Activity - g/L Fibrinogen Activity - mg/dL	20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé.
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGL-27 Coagulation - Routine** CAP	A	2027-01-19	Fibrinogen Activity - mg/dL Calculated International Normalized Ratio Activated PTT - Seconds D-dimer Quantitative Prothrombin Time - Seconds Direct International Normalized Ratio Fibrinogen Activity - g/L	20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé.
Pathologie et cancérologie	08.3 Pathologie cytologie	**PEEQPC-01-27 Cytopathologie** LSPQ	A	2027-01-27	Interprétation de lames non-gynécologiques Interprétation de lames gynécologiques (conventionnelles) Interprétation de lames gynécologiques (milieu liquide)	60470 - Frottis cervicaux-vaginaux (lecture) 60472 - Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (lecture) 60456 - Cytologie liquide gynécologique (lecture)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.3 Pathologie cytologie	**PEEQPC-01-27 Cytopathologie** LSPQ	B	2027-01-27	Interprétation de lames non-gynécologiques Interprétation de lames gynécologiques (conventionnelles) Interprétation de lames gynécologiques (milieu liquide)	60470 - Frottis cervicaux-vaginaux (lecture) 60472 - Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (lecture) 60456 - Cytologie liquide gynécologique (lecture)
Pathologie et cancérologie		**CYH-27 HER2 FISH: CYH** CAP	A	2027-02-01	HER2 Préparation et interprétation FISH HER2 Interprétation FISH (défi virtuel)	65008 - Cancer du sein et de l'estomac, détection (ERBB2 ou HER2/neu) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)
Pathologie et cancérologie	Diagnostic moléculaire hémato-oncologie	**ISH-27 Hybridation in situ - ISH** CAP	A	2027-02-01	Kappa/Lambda (ISH interprétation) EBV VPH (ISH interprétation)	65160 - Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation in situ chromogénique (CISH)
Microbiologie	07.5 Microbiologie parasitologie	**PEEQM-09-27 Parasitologie sanguine** LSPQ	A	2027-02-01	Détection de parasites sanguins Identification de parasites sanguins Taux de parasitémie	41121 - Malaria (frottis + goutte épaisse) (préparation et coloration) 41122 - Malaria (lecture et identification, incluant % parasitémie) 41150 - Parasites dans le sang, tissus et liquides biologiques (détection) (sauf malaria)
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-24-27 Bactériologie – Lait maternel** LSPQ	A (Lait maternel pasteurisé)	2027-02-03	Dénombrement bactérien - lait maternel pasteurisé	Dénombrement bactérien - lait maternel pasteurisé - HQ003
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**PEEQPC-02-27 Colorations histochimiques** LSPQ	A	2027-02-03	HE - Bloc tissulaire paraffiné HPS - Bloc tissulaire paraffiné HES - Bloc tissulaire paraffiné HP - Bloc tissulaire paraffiné HE - Tissu frais/congelé HPS - Tissu frais/congelé HES - Tissu frais/congelé HP - Tissu frais/congelé	60050 - Coloration spéciale 60141 - Examen extemporané (coloration incluse) 60200 - Coloration de routine, tissu paraffiné

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**NGS-27 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres constitutionnels (CAP)** CAP	A	2027-02-22	Sensibilité et spécificité du génotypage - NGS	55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55256 - Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation) 75020 - Séquençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55300 - Syndrome de RETT, gène MECP2 (séquençage et MLPA) 55039 - Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55041 - Panel global de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) (technique seulement) 55250 - Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; HEXA; (SNG) 55288 - Surdité non syndromique; GJB2, GJB6, Connexine 26 (SNG) 55365 - Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG) (technique et interprétation) 75022 - Séquençage du génome germinal pour l'investigation des maladies génétiques dans le cadre du projet Génome Canada (ICSP) (SNG) 55356 - Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG) 55252 - Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes) 55221 - Fibrose kystique (FK); CFTR (SNG) 55266 - Phénylcétonurie (PCU); PAH (SNG) 55172 - Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); RET; (7 exons) (séquençage)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API230-27 FSC, différentiel en 5 parties et réticulocytes - 5C (Coulter DxH600,800,900)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Erythrocyte Count (x 10E12/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) Platelet Count (x10E9/L) Nucleated RBCs (%) Nucleated RBCs (x10E9/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) MPV (fL) RDW-CV (%) RDW-SD (fL) Reticulocyte Count (%) Reticulocyte Count (x10E9/L) IRF (%)	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé) 20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API238-27 FSC, différentiel en 5 parties et réticulocytes - 5S (Sysmex)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Erythrocyte Count (x 10E12/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) IG (%) IG (x10E9/L) IPF (%) Platelet Count (x10E9/L) Nucleated RBCs (%) Nucleated RBCs (x10E9/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) MPV (fL) RDW-CV (%) RDW-SD (fL) Reticulocyte Count (%) Reticulocyte Count (x10E9/L) IRF (%) RET-He (pg)	20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé) 20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20470 - Réticulocytes (automatisé)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API206-27 Liquides biologiques - Décomptes cellulaires (automates)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Erythrocytes (cells/uL) Erythrocytes (x10E12/L) Leukocytes (cells/uL) Leukocytes (x10E9/L) Mononuclear cells (%) Polymorphonuclear cells (%) Total nucleated cells (x10E9/L) Total nucleated cells (x10E6/L)	20358 - Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API228-27 Vitesse de sédimentation - A (manuelle ou automatisée)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée 20490 - Sédimentation manuelle
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API203-27 Vitesse de sédimentation - D (Alcor iSED)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API280-27 Vitesse de sédimentation - E (Alifax)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API224-27 Identification de cellules sur frottis sanguin (avec différentiel manuel)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Blood Cell Identification Blood Cell Identification - Edu Basophils - Edu (%) Eosinophils - Edu (%) Lymphocytes - Edu (%) Lymphocytes, reactive - Edu (%) Monocytes - Edu (%) Neutrophils, band - Edu (%) Neutrophils, segmented - Edu (%) Neutrophils, seg or band - Edu (%) Nucleated RBCs - Edu (%) Blasts - Edu (%) Immature Cells - Edu (%) Metamyelocytes - Edu (%) Myelocytes - Edu (%) Promyelocytes - Edu (%) Platelet estimate - Edu RBC Morphology - Edu	20362 - Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration) 20363 - Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API257-27 Liquides biologiques - Identification de cellules et cristaux (virtuel)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Body fluid microscopy	20321 - Différentielle manuelle avec cytospin
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API277-27 Liquides biologiques - Décomptes cellulaires et différentiel (manuel)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Erythrocytes (cells/uL) Leukocytes (cells/uL) Basophils (%) Eosinophils (%) Lymphocytes (%) Monocytes (%) Neutrophils (%) Mononuclear cells (%) Polymorphonuclear cells (%) Cristaux (ID)	20320 - Décompte manuel des liquides 20321 - Différentielle manuelle avec cytospin

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API279-27 FSC et différentiel en 5 parties - 5H (Coulter DxH500,520,560)** API (Somagen)	1	2027-03-01	Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Erythrocyte Count (x 10E12/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) MPV (fL) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) Platelet Count (x10E9/L) RDW-CV (%) RDW-SD (fL)	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**PEEQGMH-01-27 Maladies héréditaires récessives liées à un effet fondateur au Québec** LSPQ	A	2027-03-08	PEX1 : c.2097_2098insT PEX6 : c.802_815del GNPTAB : c.3503_3504del SLC12A6 : c.2436+1del SACS : c.7504C>T LRPPRC : c.1061C>T FAH : c.1062+5G>A SACS : c.8844del	55309 - Six maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean, (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique 55311 - Offre populationnelle – Six maladies récessives du Saguenay – Lac-Saint-Jean; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales 55313 - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.2 Diagnostic moléculaire hématologie	**MGL1-27 Génétique moléculaire - série 1 (CAP/ACMG)** CAP	A	2027-03-08	Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Génotypage Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Génotypage Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Interprétation Hémochromatose (gène HFE) - Génotypage Hémochromatose (gène HFE) - Interprétation Methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T - Génotypage Methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T et c.1286A>C - Interprétation Methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.1286A>C - Génotypage Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Génotypage. Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Interprétation Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle maternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle paternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Interprétation Prothrombine (P, gène F2) - Génotypage Prothrombine (P, gène F2) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Statut de mutation	55224 - Hémochromatose héréditaire type I; HFE (C282Y, H63D) (TAAN) 55294 - Syndrome de l'X fragile; FMR1 (expansion de trinucléotides) 25021 - Facteur V Leiden (TAAN) 25040 - Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN) 55298 - Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation et détection du nombre de copies par MLPA)
Pathologie et cancérologie	04.2 Génétique cytogénétique	**CYK-27 Tumeurs solides (FISH): CYK** CAP	A	2027-03-15	FISH Interprétation - Tumeurs solides	50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase 50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)
Pathologie et cancérologie	04.2 Génétique cytogénétique	**CYL-27 Tissus de lymphome (FISH): CYL** CAP	A	2027-03-15	FISH Interprétation - Lymphome	50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase 50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**HER2-27 HER2 Immunohistochimie : HER2** CAP	A	2027-03-15	HER2 IHC Interprétation	60570 - Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)
Hématologie - Banque de sang		**ANA-27 Anticorps antinucléaires (ANA)** CAP	A	2027-03-15	ANA - Dépistage ANA - Quantification ANA - Profils de coloration	20717 - Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGE-27 Coagulation - Spécialités** CAP	A	2027-03-15	50:50 mixing study, PT and aPTT Activated partial thromboplastin time Activated protein C resistance Alpha-2-antiplasmin Antithrombin activity/antigen Dilute prothrombin time Factors II, V, VII, VIII, IX, X, XI, XII, and XIII Fibrinogen antigen Heparin-induced thrombocytopenia (HIT) Plasminogen activator inhibitor Plasminogen activity/antigen Prekallikrein Protein C Protein S Reptilase time Prothrombin time Antithrombin antigen (quantitative, interpretation)	20248 - Temps de thrombine (TT) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20198 - Protéine S (activité) 20196 - Protéine C (activité) 20080 - Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité) 20190 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité) 20189 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (antigène) 20194 - Prékallicréine (activité) 20244 - Temps de reptilase 20220 - Résistance à la protéine C activée 20240 - Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de trombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50 20013 - Antiplasmine (activité) 20098 - Facteur XIII (activité) (quantitatif) 20014 - Antithrombine (activité) 20122 - Facteur VIII (détermination de la concentration)%%%(méthode chromogène) 20101 - Fibrinogène (antigène) 20191 - Plasminogène (activité) 20197 - Protéine C (antigène) 20199 - Protéine S libre (antigène) 20200 - Protéine S totale (antigène)
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGEX-27 Coagulation - Spécialités (Grand format)** CAP	A	2027-03-15	50:50 mixing study, PT and aPTT Activated partial thromboplastin time Activated protein C resistance Alpha-2-antiplasmin Antithrombin activity/antigen Antithrombin antigen (quantitative, interpretation) Dilute prothrombin time Factors II, V, VII, VIII, IX, X, XI, XII, and XIII Fibrinogen antigen Heparin-induced thrombocytopenia (HIT) Plasminogen activator inhibitor Plasminogen activity/antigen Prekallikrein Protein C Protein S Prothrombin time Reptilase time	20014 - Antithrombine (activité) 20191 - Plasminogène (activité) 20013 - Antiplasmine (activité) 20080 - Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité) 20098 - Facteur XIII (activité) (quantitatif) 20101 - Fibrinogène (antigène) 20122 - Facteur VIII (détermination de la concentration)%%%(méthode chromogène) 20190 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité) 20194 - Prékallicréine (activité) 20196 - Protéine C (activité) 20197 - Protéine C (antigène) 20198 - Protéine S (activité) 20199 - Protéine S libre (antigène) 20200 - Protéine S totale (antigène) 20220 - Résistance à la protéine C activée 20240 - Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de trombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20244 - Temps de reptilase 20248 - Temps de thrombine (TT) 20189 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (antigène)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGS4-27 Héparine (incluant activité anti-Xa)** CAP	A	2027-03-15	Activated Partial Thromboplastin Time Heparin activities using methodologies including Anti-Xa (unfractionated, low molecular weight, and hybrid curve) Prothrombin time International normalized ratio (INR) Thrombin time	20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20248 - Temps de thrombine (TT) 20130 - Héparine anti-Xa
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-1-27 Médecine transfusionnelle - Option 1 - Manuelle (ABO/Rh, recherche Ac et compatibilité)** IQMH	1	2027-03-15	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-2-27 Médecine transfusionnelle - Option 2 - Manuelle (ABO/Rh, recherche Ac, compatibilité et DAT)** IQMH	1	2027-03-15	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test direct à l'antiglobuline - Manuel Test de compatibilité - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-3-27 Médecine transfusionnelle - Option 3 - manuelle (complète)** IQMH	1	2027-03-15	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Identification d'anticorps - Manuelle Titrage d'anticorps - Manuel Test de compatibilité - Manuel Test direct à l'antiglobuline - Manuel Phénotypage érythrocytaire - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10170 - Titrage anticorps (par anticorps) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-5-27 Médecine transfusionnelle - Option 5 - Automatisée et manuelle** IQMH	1	2027-03-15	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Identification d'anticorps - Manuelle Phénotypage érythrocytaire - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel Test direct à l'antiglobuline - Manuel Titrage d'anticorps - Manuel Groupe ABO - Automatisé Groupe RhD - Automatisé Identification d'anticorps - Automatisée Phénotypage érythrocytaire - Automatisé Recherche d'anticorps - Automatisée Test de compatibilité - Automatisé Test direct à l'antiglobuline - Automatisé Titrage d'anticorps - Automatisé	10111 - Anticorps irréguliers (identification automatisée) 10134 - Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé) 10153 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel) 10154 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10085 - Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires) 10170 - Titrage anticorps (par anticorps) 10028 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**RNA-27 Détection de gènes de fusion (RNA-seq)** CAP	A	2027-03-16	Détection de fusions	65174 - Sarcome des tissus mous et osseux; analyse des translocations (SNG) 65240 - Séquençage transcriptome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG) 65239 - Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation) 65237 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement) 65238 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (technique seulement)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique 08.3 Pathologie cytologie	**PEEQPC-04-27 Cytopathologie - Technique** LSPQ	A	2027-03-17	HE - bloc cellulaire paraffiné HPS - bloc cellulaire paraffiné HES - bloc cellulaire paraffiné HP - bloc cellulaire paraffiné Papanicolaou – Non gynéco Papanicolaou – Gynéco	60200 - Coloration de routine, tissu paraffiné 60442 - Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation) 60471 - Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (préparation et coloration) 60446 - Cytologie liquide (non gynécologique) (coloration) 60441 - Cytologie gynécologique en milieu liquide (préparation) 60445 - Cytologie liquide (gynécologique) (coloration) 60455 - Préparation de blocs cellulaires (enrobage dans agar)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**CY-27 Cytogénétique - Défis virtuels** CAP	A	2027-03-22	Identification anomalies chromosomiques - caryotype Nomenclature - caryotype	50715 - Caryotype villosités choriales après culture 50710 - Caryotype (liquide amniotique) 50711 - Caryotype (sang) 50712 - Caryotype (tissus) 50713 - Caryotype pour hémopathies (moelle et sang) 50714 - Caryotype pour tumeur solide 50649 - Caryotype villosités choriales sur technique directe
Microbiologie	07.2 Microbiologie immunosérologie	**PEEQM-13-27 Sérologie/Virologie – Hépatites virales** LSPQ	A	2027-03-22	Anti-VHA IgM Anti-VHA IgG (ou totaux) AgHBs Anti-HBc IgM Anti-HBs Anti-HBc IgG (ou totaux) Anti-HBe AgHBe Anti-VHC	20670 - Hépatite A (VHA) IgM spécifique 20671 - Hépatite A (VHA) IgG ou Ac totaux 20672 - Hépatite B (anticorps antigène de surface) (anti-HBs) IgG ou Ac totaux 20673 - Hépatite B (anti-HBc) IgG ou Ac totaux 20674 - Hépatite B (anti-HBc) IgM spécifique 20676 - Hépatite B (antigène de surface) (HbsAg) 20678 - Hépatite C (anti-VHC) IgG ou Ac totaux 20675 - Hépatite B (anti-HBe) IgG ou Ac totaux 20677 - Hépatite B (HbeAg) (antigène)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**2027GCI Syndromes d'instabilité chromosomique** GenQA	Option Cas virtuels seulement	2027-04-05	Précision de l'analyse - GCI Qualité de l'interprétation clinique - GCI Précision cléricale rapport - GCI	50740 - Diagnostic des cassures chromosomiques (Fanconi, Bloom, etc.)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers	**2027RMCC Test de contamination maternelle et sexage** GenQA	A	2027-04-05	Précision de l'analyse/génotypage - RMCC Qualité de l'interprétation clinique - RMCC Précision cléricale rapport - RMCC	75004 - Contamination maternelle (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**CYF-27 Hybridation in situ en fluorescence (FISH) - Désordres constitutionnels et hématologiques** CAP	A	2027-04-06	Interprétation FISH désordres constitutionnels Interprétation FISH désordres hématologiques	50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase 50722 - FISH sur métaphase

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	Diagnostic moléculaire hémato-oncologie	**MHO-27 Oncologie hématologique moléculaire: MHO** CAP	A	2027-04-13	Tumeurs lymphoïdes - génotypage	65019 - Réarrangements du gène des récepteurs des lymphocytes T gamma (TRG) (SNG) 65016 - Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2) 65018 - Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2) 65020 - Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2) 65132 - Lymphome à cellule du manteau (BCL-1) (TAAN) 65138 - Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**SEC1-27 Séquençage conventionnel (Sanger) - Désordres constitutionnels** CAP	A	2027-04-19	Précision et interprétation du génotypage - Sanger	55318 - Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger) 55208 - Dysplasie ectodermique hidrotique ou syndrome de Clouston; GJB6 (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asm et Ala88Val) 55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55194 - Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-Ib); MPI (Arg295His) 55198 - Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); SERPINA1 (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp) 55036 - Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (séquençage Sanger) 55037 - Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (séquençage Sanger) 55320 - Tyrosinémie héréditaire de type 1; FAH (14 exons) (séquençage Sanger) 55302 - Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del) (séquençage) 55315 - Mucolipidose de type II (MLII); GNPTAB:c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**PEEQPC-03-27 Immunohistochimie** LSPQ	A	2027-04-21	Cytokératine 14 - coloration Cytokératine 5 - coloration Cytokératine 5/14 - coloration Cytokératine 5/6 - coloration Cytokératine 34BE12 - coloration Chromogranine A - coloration Ki-67 - coloration Calrétinine - coloration p16 - coloration HMB-45 (Mélanosome) - coloration EMA (Antigène de membrane épithéliale) - coloration Bêta-Caténine - coloration MPO (Myelopéroxidase) - coloration Hépatocyte - coloration Alpha-1-Fetoprotéine (AFP) - coloration RCC (Renal cell carcinoma) - coloration FXIIIa - coloration OCT3/4 - coloration OCT4 - coloration Glypican-3 - coloration SALL4 - coloration	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)
Microbiologie	07.5 Microbiologie parasitologie	**PEEQM-08-27 Parasitologie intestinale** LSPQ	A	2027-04-26	Identification de parasites intestinaux	41152 - Parasites intestinaux (microscopie) (coloration permanente – hématoxyline ferrique – incluant la lecture) 41153 - Parasites intestinaux (microscopie) (par concentration et coloration iodée – incluant la lecture) 41155 - Parasites intestinaux (coccidies) (microscopie) (coloration permanente – Kinyoun modifié – incluant la lecture)
Microbiologie	07.4 Microbiologie mycologie	**PEEQM-07-27 Mycologie – Identification et antifongigramme** LSPQ	A	2027-04-26	Identification de levures Détection de levures Sensibilité aux antifongiques	41031 - Mycoses (hémoculture) 41050 - Levures (culture spécifique) 41071 - Mycose profonde (incluant levures) 41072 - Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures) 41078 - Identification de levures au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF) 41055 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microdilution en bouillon - méthode CLSI ou Sensititre YeastOne (par levure) 41056 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en disque sur gélose (Kirby Bauer) - méthode CLSI 41073 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microplaque sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan® (par levure) 41000 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en bandelette sur gélose (ex. : E-TEST ou Liofilchem)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.4 Microbiologie mycologie	**PEEQM-07-27 Mycologie – Identification et antifongigramme** LSPQ	B	2027-04-26	Identification de champignons filamenteux Détection de champignons filamenteux	41071 - Mycose profonde (incluant levures) 41072 - Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures) 41076 - Champignons filamenteux (identification manuelle) 41077 - Identification de champignons filamenteux au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGL2-27 Coagulation - Routine, Rapport pour 2e appareil** CAP	B	2027-05-04	Activated PTT - Seconds Prothrombin Time - Seconds Calculated International Normalized Ratio Direct International Normalized Ratio D-dimer Quantitative Fibrinogen Activity - g/L Fibrinogen Activity - mg/dL	20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé.
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGL-27 Coagulation - Routine** CAP	B	2027-05-04	Fibrinogen Activity - mg/dL Calculated International Normalized Ratio Activated PTT - Seconds D-dimer Quantitative Prothrombin Time - Seconds Direct International Normalized Ratio Fibrinogen Activity - g/L	20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé.
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**CYCGH-27 Recherche de micro délétions et duplications génomiques - Anomalies constitutionnelles** CAP	A	2027-05-10	Détection de variants dans le nombre de copies - CGH	50055 - Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**PM2-27 ER / PgR (IHC): PM2** CAP	A	2027-05-17	ER IHC Interp PgR IHC Interp	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus) 60189 - Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-03-27 Bactériologie – Identification et antibiogramme** LSPQ	A	2027-05-17	Culture primaire Examen microscopique Identification bactérienne Sensibilité aux antibiotiques - Hémoculture Sensibilité aux antibiotiques - Liquide biologique Sensibilité aux antibiotiques - normatif	40101 - Hémoculture (1 bouteille : aérobie ou anaérobie) 40102 - Hémoculture (2 bouteilles : aérobie + anaérobie) 40103 - Identification d'une bactérie après incubation courte, à partir d'une hémoculture, au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF) 40164 - Liquide céphalo-rachidien (LCR) (culture) 40263 - Selles (culture) 40220 - Oreille ou conduit auditif externe (culture) 40125 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API) 40126 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®) 40047 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) microplaque / carte automatisée (par bactérie) 40048 - Concentration minimale inhibitrice en diffusion (CMI) (bandelette) (par antibiotique et par bactérie) 40130 - Coloration Gram (sur colonie) 40140 - Kirby Bauer (par bactérie) (antibiogramme par diffusion) 40046 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en bouillon - méthode Sensititre) (par bactérie) 40128 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF) 40124 - Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF) 40127 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie) 40271 - Stérilité (produit sanguin)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**NGSST-27 Séquençage nouvelle génération - Tumeur solide NGSST** CAP	A	2027-05-24	SNG Tumeur solide (sensibilité) SNG Tumeur solide (spécificité)	65050 - GIST: CKIT et PDGFRA (12 séquençages) 65237 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement) 65238 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (technique seulement) 65239 - Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation) 65005 - Cancer de l'ovaire, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65007 - Cancer de la prostate, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65017 - Cancer de l'endomètre; POLE – recherche de mutations sur tumeur solide (SNG) 65028 - Cancer du sein, PTEN - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-1-27 Médecine transfusionnelle - Option 1 - Manuelle (ABO/Rh, recherche Ac et compatibilité)** IQMH	2	2027-05-25	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-2-27 Médecine transfusionnelle - Option 2 - Manuelle (ABO/Rh, recherche Ac, compatibilité et DAT)** IQMH	2	2027-05-25	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test direct à l'antiglobuline - Manuel Test de compatibilité - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-3-27 Médecine transfusionnelle - Option 3 - manuelle (complète)** IQMH	2	2027-05-25	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Identification d'anticorps - Manuelle Titrage d'anticorps - Manuel Test de compatibilité - Manuel Test direct à l'antiglobuline - Manuel Phénotypage érythrocytaire - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10170 - Titrage anticorps (par anticorps) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-5-27 Médecine transfusionnelle - Option 5 - Automatisée et manuelle** IQMH	2	2027-05-25	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Identification d'anticorps - Manuelle Phénotypage érythrocytaire - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel Test direct à l'antiglobuline - Manuel Titrage d'anticorps - Manuel Groupe ABO - Automatisé Groupe RhD - Automatisé Identification d'anticorps - Automatisée Phénotypage érythrocytaire - Automatisé Recherche d'anticorps - Automatisée Test de compatibilité - Automatisé Test direct à l'antiglobuline - Automatisé Titrage d'anticorps - Automatisé	10111 - Anticorps irréguliers (identification automatisée) 10134 - Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé) 10153 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel) 10154 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10085 - Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires) 10170 - Titrage anticorps (par anticorps) 10028 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.1 Hématologie cyto-chimie 06.0 Banque de sang générale 05.6 Hématologie immunocytométrie	**HEMA-FMH-27 Hémorragie fœto-maternelle** IQMH	1	2027-05-25	Cellules foetales - Recherche Cellules foetales - %	10021 - Cellules foetales (quantitatif) (Kleihauer) 10020 - Cellules foetales (agglutination) (dépistage) (qualitatif) 21002 - Recherche d'hémoglobine fœtale (cytométrie de flux)
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-24-27 Bactériologie – Lait maternel** LSPQ	B (Lait maternel non pasteurisé)	2027-06-02	Identification - lait maternel non pasteurisé Dénombrement bactérien - lait maternel non pasteurisé	Identification bactérienne - lait maternel non pasteurisé - HQ001 Dénombrement bactérien - lait maternel non pasteurisé - HQ002
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**MMR-27 Réparation des mésappariements (IHC): MMR** CAP	A	2027-06-07	MLH1 MSH2 MSH6 PMS2	60042 - Protéines de réparation des mésappariements de l'ADN (MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (instabilité des microsatellites (MSI-H)) (immunohistochimie)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**MSI-27 Instabilité des microsatellites: MSI** CAP	A	2027-06-07	MLH1 - Statut de méthylation du promoteur Instabilité des microsatellites	55156 - Cancer du côlon; MLH1; méthylation du promoteur (TAAN) 65004 - Analyse d'instabilité des microsatellites (MSI) (TAAN)
Pathologie et cancérologie		**CYH-27 HER2 FISH: CYH** CAP	B	2027-06-28	HER2 Préparation et interprétation FISH HER2 Interprétation FISH (défi virtuel)	65008 - Cancer du sein et de l'estomac, détection (ERBB2 ou HER2/neu) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)
Pathologie et cancérologie	Diagnostic moléculaire hémato-oncologie	**ISH-27 Hybridation in situ - ISH** CAP	B	2027-06-28	Kappa/Lambda (ISH interprétation) EBV VPH (ISH interprétation)	65160 - Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation in situ chromogénique (CISH)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API230-27 FSC, différentiel en 5 parties et réticulocytes - 5C (Coulter DxH600,800,900)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Erythrocyte Count (x 10E12/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) Platelet Count (x10E9/L) Nucleated RBCs (%) Nucleated RBCs (x10E9/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) MPV (fL) RDW-CV (%) RDW-SD (fL) Reticulocyte Count (%) Reticulocyte Count (x10E9/L) IRF (%)	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé) 20470 - Réticulocytes (automatisé)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API238-27 FSC, différentiel en 5 parties et réticulocytes - 5S (Sysmex)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Erythrocyte Count (x 10E12/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) IG (%) IG (x10E9/L) IPF (%) Platelet Count (x10E9/L) Nucleated RBCs (%) Nucleated RBCs (x10E9/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) MPV (fL) RDW-CV (%) RDW-SD (fL) Reticulocyte Count (%) Reticulocyte Count (x10E9/L) IRF (%) RET-He (pg)	20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé) 20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API206-27 Liquides biologiques - Décomptes cellulaires (automates)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Erythrocytes (cells/uL) Erythrocytes (x10E12/L) Leukocytes (cells/uL) Leukocytes (x10E9/L) Mononuclear cells (%) Polymorphonuclear cells (%) Total nucleated cells (x10E9/L) Total nucleated cells (x10E6/L)	20358 - Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API228-27 Vitesse de sédimentation - A (manuelle ou automatisée)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée 20490 - Sédimentation manuelle
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API203-27 Vitesse de sédimentation - D (Alcor iSED)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API280-27 Vitesse de sédimentation - E (Alifax)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API224-27 Identification de cellules sur frottis sanguin (avec différentiel manuel)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Blood Cell Identification Blood Cell Identification - Edu Basophils - Edu (%) Eosinophils - Edu (%) Lymphocytes - Edu (%) Lymphocytes, reactive - Edu (%) Monocytes - Edu (%) Neutrophils, band - Edu (%) Neutrophils, segmented - Edu (%) Neutrophils, seg or band - Edu (%) Nucleated RBCs - Edu (%) Blasts - Edu (%) Immature Cells - Edu (%) Metamyelocytes - Edu (%) Myelocytes - Edu (%) Promyelocytes - Edu (%) Platelet estimate - Edu RBC Morphology - Edu	20362 - Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration) 20363 - Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API279-27 FSC et différentiel en 5 parties - 5H (Coulter DxH500,520,560)** API (Somagen)	2	2027-06-28	Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Erythrocyte Count (x 10E12/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) MPV (fL) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) Platelet Count (x10E9/L) RDW-CV (%) RDW-SD (fL)	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Pathologie et cancérologie	04.2 Génétique cytogénétique	**CYK-27 Tumeurs solides (FISH): CYK** CAP	B	2027-07-26	FISH Interprétation - Tumeurs solides	50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase 50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)
Pathologie et cancérologie	04.2 Génétique cytogénétique	**CYL-27 Tissus de lymphome (FISH): CYL** CAP	B	2027-07-26	FISH Interprétation - Lymphome	50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase 50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.2 Diagnostic moléculaire hématologie	**MGL1-27 Génétique moléculaire - série 1 (CAP/ACMG)** CAP	B	2027-08-02	Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Génotypage Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Génotypage Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Interprétation Hémochromatose (gène HFE) - Génotypage Hémochromatose (gène HFE) - Interprétation Methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T - Génotypage Methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T et c.1286A>C - Interprétation Methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.1286A>C - Génotypage Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Génotypage. Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Interprétation Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle maternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle paternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Interprétation Prothrombine (P, gène F2) - Génotypage Prothrombine (P, gène F2) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Statut de mutation	55224 - Hémochromatose héréditaire type I; HFE (C282Y, H63D) (TAAN) 55294 - Syndrome de l'X fragile; FMR1 (expansion de trinucléotides) 25021 - Facteur V Leiden (TAAN) 25040 - Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN) 55298 - Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation et détection du nombre de copies par MLPA)
Hématologie - Banque de sang		**ANA-27 Anticorps antinucléaires (ANA)** CAP	B	2027-08-09	ANA - Dépistage ANA - Quantification ANA - Profils de coloration	20717 - Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**RNA-27 Détection de gènes de fusion (RNA-seq)** CAP	B	2027-08-10	Détection de fusions	65174 - Sarcome des tissus mous et osseux; analyse des translocations (SNG) 65240 - Séquençage transcriptome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG) 65239 - Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation) 65237 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement) 65238 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (technique seulement)
Génétique et Maladies héréditaires	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**2027PGXD Pharmacogénomique : gène DPYD** GenQA	A	2027-08-16	Précision du génotypage - PGXD Qualité de l'interprétation clinique - PGXD Précision cléricale rapport - PGXD	65036 - Dihydropyrimidine déshydrogénase (DPYD), mutations c.1905+1G>A (DPYD*2A), c.2846A>T, c.1679T>G et c.1129-5923C>G (TAAN)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**HER2-27 HER2 Immunohistochimie : HER2** CAP	B	2027-08-16	HER2 IHC Interprétation	60570 - Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGL2-27 Coagulation - Routine, Rapport pour 2e appareil** CAP	C	2027-08-17	Activated PTT - Seconds Prothrombin Time - Seconds Calculated International Normalized Ratio Direct International Normalized Ratio D-dimer Quantitative Fibrinogen Activity - g/L Fibrinogen Activity - mg/dL	20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé.
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGL-27 Coagulation - Routine** CAP	C	2027-08-17	Fibrinogen Activity - mg/dL Calculated International Normalized Ratio Activated PTT - Seconds D-dimer Quantitative Prothrombin Time - Seconds Direct International Normalized Ratio Fibrinogen Activity - g/L	20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé.
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**CYF-27 Hybridation in situ en fluorescence (FISH) - Désordres constitutionnels et hématologiques** CAP	B	2027-08-23	Interprétation FISH désordres constitutionnels Interprétation FISH désordres hématologiques	50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase 50722 - FISH sur métaphase
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGS4-27 Héparine (incluant activité anti-Xa)** CAP	B	2027-08-23	Activated Partial Thromboplastin Time Heparin activities using methodologies including Anti-Xa (unfractionated, low molecular weight, and hybrid curve) Prothrombin time International normalized ratio (INR) Thrombin time	20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20248 - Temps de thrombine (TT) 20130 - Héparine anti-Xa

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**03-NGSG-SNV-27 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres constitutionnels** EMQN	A	2027-09-01	Précision du génotypage - NGS	55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55256 - Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation) 75020 - Séquençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG) 55172 - Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); RET; (7 exons) (séquençage) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55300 - Syndrome de RETT, gène MECP2 (séquençage et MLPA) 55039 - Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55041 - Panel global de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) (technique seulement) 55250 - Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; HEXA; (SNG) 55288 - Surdité non syndromique; GJB2, GJB6, Connexine 26 (SNG) 55365 - Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG) (technique et interprétation) 75022 - Séquençage du génome germinal pour l'investigation des maladies génétiques dans le cadre du projet Génome Canada (ICSP) (SNG) 55356 - Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG) 55252 - Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG) 55266 - Phénylcétonurie (PCU); PAH (SNG) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes) 55221 - Fibrose kystique (FK); CFTR (SNG)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**03-NGSG-CNV-27 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Variabilité nombre de copies** EMQN	A	2027-09-01	Précision du génotypage CNV - NGS	50055 - Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**PEEQPC-02-27 Colorations histochimiques** LSPQ	B	2027-09-01	Fer colloïdal (Méthode d'Hale) Calcium (Méthode de Von Kossa) Calcium (Méthode au Rouge d'alizarine S) Mucicarmine (Méthode carmin de Best) Mastocytes (Méthode de bleu de toluidine) H. pylori (Méthode de violet de crésyl) H. pylori (Méthode de Giemsa modifiée) H. pylori (Méthode de Warthin-Starry) Giemsa (Méthode de May-Grundwald ou Wright)	60050 - Coloration spéciale
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**03-NGSS-SNV-27 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres somatiques sur tumeurs** EMQN	A	2027-09-01	Précision du génotypage - NGS somatique	65005 - Cancer de l'ovaire, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65007 - Cancer de la prostate, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65028 - Cancer du sein, PTEN - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG) 65237 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement) 65239 - Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation) 65238 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (technique seulement) 65017 - Cancer de l'endomètre; POLE – recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**NGS-27 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres constitutionnels (CAP)** CAP	B	2027-09-07	Sensibilité et spécificité du génotypage - NGS	55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55256 - Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation) 75020 - Séquençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55300 - Syndrome de RETT, gène MECP2 (séquençage et MLPA) 55039 - Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55041 - Panel global de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) (technique seulement) 55250 - Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; HEXA; (SNG) 55288 - Surdité non syndromique; GJB2, GJB6, Connexine 26 (SNG) 55365 - Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG) (technique et interprétation) 75022 - Séquençage du génome germinal pour l'investigation des maladies génétiques dans le cadre du projet Génome Canada (ICSP) (SNG) 55356 - Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG) 55252 - Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes) 55221 - Fibrose kystique (FK); CFTR (SNG) 55266 - Phénylcétonurie (PCU); PAH (SNG) 55172 - Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); RET; (7 exons) (séquençage)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-1-27 Médecine transfusionnelle - Option 1 - Manuelle (ABO/Rh, recherche Ac et compatibilité)** IQMH	3	2027-09-07	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-2-27 Médecine transfusionnelle - Option 2 - Manuelle (ABO/Rh, recherche Ac, compatibilité et DAT)** IQMH	3	2027-09-07	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test direct à l'antiglobuline - Manuel Test de compatibilité - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-3-27 Médecine transfusionnelle - Option 3 - manuelle (complète)** IQMH	3	2027-09-07	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Identification d'anticorps - Manuelle Titrage d'anticorps - Manuel Test de compatibilité - Manuel Test direct à l'antiglobuline - Manuel Phénotypage érythrocytaire - Manuel	10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10170 - Titrage anticorps (par anticorps) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	**TMED-AAU-5-27 Médecine transfusionnelle - Option 5 - Automatisée et manuelle** IQMH	3	2027-09-07	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Identification d'anticorps - Manuelle Phénotypage érythrocytaire - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel Test direct à l'antiglobuline - Manuel Titrage d'anticorps - Manuel Groupe ABO - Automatisé Groupe RhD - Automatisé Identification d'anticorps - Automatisée Phénotypage érythrocytaire - Automatisé Recherche d'anticorps - Automatisée Test de compatibilité - Automatisé Test direct à l'antiglobuline - Automatisé Titrage d'anticorps - Automatisé	10111 - Anticorps irréguliers (identification automatisée) 10134 - Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé) 10153 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel) 10154 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10085 - Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires) 10170 - Titrage anticorps (par anticorps) 10028 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**PEEQGMH-01-27 Maladies héréditaires récessives liées à un effet fondateur au Québec** LSPQ	B	2027-09-13	PEX1 : c.2097_2098insT PEX6 : c.802_815del GNPTAB : c.3503_3504del SLC12A6 : c.2436+1del SACS : c.7504C>T LRPPRC : c.1061C>T FAH : c.1062+5G>A SACS : c.8844del	55309 - Six maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean, (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique 55311 - Offre populationnelle – Six maladies récessives du Saguenay – Lac-Saint-Jean; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales 55313 - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGE-27 Coagulation - Spécialités** CAP	B	2027-09-20	50:50 mixing study, PT and aPTT Activated partial thromboplastin time Activated protein C resistance Alpha-2-antiplasmin Antithrombin activity/antigen Dilute prothrombin time Factors II, V, VII, VIII, IX, X, XI, XII, and XIII Fibrinogen antigen Heparin-induced thrombocytopenia (HIT) Plasminogen activator inhibitor Plasminogen activity/antigen Prekallikrein Protein C Protein S Reptilase time Prothrombin time Antithrombin antigen (quantitative, interpretation)	20248 - Temps de thrombine (TT) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20198 - Protéine S (activité) 20196 - Protéine C (activité) 20080 - Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité) 20190 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité) 20189 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (antigène) 20194 - Prékallicréine (activité) 20244 - Temps de reptilase 20220 - Résistance à la protéine C activée 20240 - Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de trombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50 20013 - Antiplasmine (activité) 20098 - Facteur XIII (activité) (quantitatif) 20014 - Antithrombine (activité) 20122 - Facteur VIII (détermination de la concentration)%%%(méthode chromogène) 20101 - Fibrinogène (antigène) 20191 - Plasminogène (activité) 20197 - Protéine C (antigène) 20199 - Protéine S libre (antigène) 20200 - Protéine S totale (antigène)
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	**CGEX-27 Coagulation - Spécialités (Grand format)** CAP	B	2027-09-20	50:50 mixing study, PT and aPTT Activated partial thromboplastin time Activated protein C resistance Alpha-2-antiplasmin Antithrombin activity/antigen Antithrombin antigen (quantitative, interpretation) Dilute prothrombin time Factors II, V, VII, VIII, IX, X, XI, XII, and XIII Fibrinogen antigen Heparin-induced thrombocytopenia (HIT) Plasminogen activator inhibitor Plasminogen activity/antigen Prekallikrein Protein C Protein S Prothrombin time Reptilase time	20014 - Antithrombine (activité) 20191 - Plasminogène (activité) 20013 - Antiplasmine (activité) 20080 - Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité) 20098 - Facteur XIII (activité) (quantitatif) 20101 - Fibrinogène (antigène) 20122 - Facteur VIII (détermination de la concentration)%%%(méthode chromogène) 20190 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité) 20194 - Prékallicréine (activité) 20196 - Protéine C (activité) 20197 - Protéine C (antigène) 20198 - Protéine S (activité) 20199 - Protéine S libre (antigène) 20200 - Protéine S totale (antigène) 20220 - Résistance à la protéine C activée 20240 - Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de trombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50 20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20244 - Temps de reptilase 20248 - Temps de thrombine (TT) 20189 - Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (antigène)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-03-27 Bactériologie – Identification et antibiogramme** LSPQ	B	2027-09-20	Culture primaire Examen microscopique Identification bactérienne	40126 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®) 40130 - Coloration Gram (sur colonie) 40128 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF) 40124 - Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF) 40127 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie) 40161 - Legionella (culture sur spécimen clinique)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**2027TBS Cancer de l'ovaire et de la prostate (BRCA) - somatique** GenQA	A	2027-09-20	Précision cléricale rapport - TBS Précision du génotypage - TBS Qualité de l'interprétation clinique - TBS	65005 - Cancer de l'ovaire, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65007 - Cancer de la prostate, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG)
Génétique et Maladies héréditaires	03.1 Dépistage prénatal	**2027NIPTA Test prénatal non invasif (NIPT) pour les aneuploïdies** GenQA	A	2027-10-04	Précision cléricale rapport - NIPTA Précision du génotypage - NIPTA Qualité de l'interprétation clinique - NIPTA	55305 - Test génomique prénatal non invasif (TGPNI)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**2027VSC Classification et interprétation des variants de tumeurs solides somatiques (NGS)** GenQA	A	2027-10-04	Précision cléricale rapport - VSC Précision de la classification des variants - VSC Qualité de l'interprétation clinique - VSC	65237 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement) 65239 - Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation) 65005 - Cancer de l'ovaire, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65007 - Cancer de la prostate, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65017 - Cancer de l'endomètre; POLE – recherche de mutations sur tumeur solide (SNG) 65028 - Cancer du sein, PTEN - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**2027VGC Classification et interprétation des variants constitutionnels (NGS)** GenQA	A	2027-10-04	Précision cléricale rapport - VGC Précision de la classification des variants - VGC Qualité de l'interprétation clinique - VGC	. (cont.)
	(cont'd)1 Diagnostic moléculaire divers Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire 02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire					(cont'd)
						(cont'd)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-24-27 Bactériologie – Lait maternel** LSPQ	C (Lait maternel pasteurisé)	2027-10-06	Dénombrement bactérien - lait maternel pasteurisé	Dénombrement bactérien - lait maternel pasteurisé - HQ003
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique 08.3 Pathologie cytologie	**PEEQPC-04-27 Cytopathologie - Technique** LSPQ	B	2027-10-06	HE - bloc cellulaire paraffiné HPS - bloc cellulaire paraffiné HES - bloc cellulaire paraffiné HP - bloc cellulaire paraffiné Papanicolaou – Non gynéco Papanicolaou – Gynéco	60200 - Coloration de routine, tissu paraffiné 60442 - Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation) 60471 - Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (préparation et coloration) 60446 - Cytologie liquide (non gynécologique) (coloration) 60441 - Cytologie gynécologique en milieu liquide (préparation) 60445 - Cytologie liquide (gynécologique) (coloration) 60455 - Préparation de blocs cellulaires (enrobage dans agar)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**2027RRA Dépistage prénatal rapide des aneuploïdies communes** GenQA	Option QF-PCR seulement	2027-10-11	Précision du génotypage - RRA Qualité de l'interprétation clinique - RRA Précision cléricale rapport - RRA	55204 - Détection rapide des aneuploïdies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**2027RRA Dépistage prénatal rapide des aneuploïdies communes** GenQA	Option FISH seulement	2027-10-11	Précision du génotypage - RRA Qualité de l'interprétation clinique - RRA Précision cléricale rapport - RRA	50720 - FISH en interphase
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 04.2 Génétique cytogénétique	**2027RRA Dépistage prénatal rapide des aneuploïdies communes** GenQA	Option QF-PCR ET FISH	2027-10-11	Précision du génotypage - RRA Qualité de l'interprétation clinique - RRA Précision cléricale rapport - RRA	55204 - Détection rapide des aneuploïdies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN) 50720 - FISH en interphase
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**CYCGH-27 Recherche de micro délétions et duplications génomiques - Anomalies constitutionnelles** CAP	B	2027-10-11	Détection de variants dans le nombre de copies - CGH	50055 - Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**MMR-27 Réparation des mésappariements (IHC): MMR** CAP	B	2027-10-11	MLH1 MSH2 MSH6 PMS2	60042 - Protéines de réparation des mésappariements de l'ADN (MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (instabilité des microsatellites (MSI-H)) (immunohistochimie)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	**MSI-27 Instabilité des microsatellites: MSI** CAP	B	2027-10-11	MLH1 - Statut de méthylation du promoteur Instabilité des microsatellites	55156 - Cancer du côlon; MLH1; méthylation du promoteur (TAAN) 65004 - Analyse d'instabilité des microsatellites (MSI) (TAAN)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	Diagnostic moléculaire hémato-oncologie	**MHO-27 Oncologie hématologique moléculaire: MHO** CAP	B	2027-10-12	Tumeurs lymphoïdes - génotypage	65019 - Réarrangements du gène des récepteurs des lymphocytes T gamma (TRG) (SNG) 65016 - Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2) 65018 - Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2) 65020 - Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2) 65132 - Lymphome à cellule du manteau (BCL-1) (TAAN) 65138 - Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	**SEC1-27 Séquençage conventionnel (Sanger) - Désordres constitutionnels** CAP	B	2027-10-18	Précision et interprétation du génotypage - Sanger	55318 - Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger) 55208 - Dysplasie ectodermique hidrotique ou syndrome de Clouston; GJB6 (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asm et Ala88Val) 55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55194 - Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-Ib); MPI (Arg295His) 55198 - Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); SERPINA1 (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp) 55036 - Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (séquençage Sanger) 55037 - Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (séquençage Sanger) 55320 - Tyrosinémie héréditaire de type 1; FAH (14 exons) (séquençage Sanger) 55302 - Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del) (séquençage) 55315 - Mucolipidose de type II (MLII); GNPTAB:c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle) 55081 - Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)
Microbiologie	07.2 Microbiologie immunosérologie	**PEEQM-23-27 Sérologie/Virologie - VIH** LSPQ	A	2027-10-18	VIH total (Anti VIH1/2 et Ag VIH-1 (Ag p24)) Anticorps VIH1/2	40840 - VIH IgG ou Ac totaux (test rapide) 40850 - VIH IgG ou Ac totaux

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-03-27 Bactériologie – Identification et antibiogramme** LSPQ	C	2027-10-18	Culture primaire Examen microscopique Identification bactérienne	40269 - Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale 40270 - Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale (agglutination sur bouillon) 40125 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API) 40126 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®) 40130 - Coloration Gram (sur colonie) 40128 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF) 40124 - Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF) 40127 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	**CY-27 Cytogénétique - Défis virtuels** CAP	B	2027-10-25	Identification anomalies chromosomiques - caryotype Nomenclature - caryotype	50715 - Caryotype villosités choriales après culture 50710 - Caryotype (liquide amniotique) 50711 - Caryotype (sang) 50712 - Caryotype (tissus) 50713 - Caryotype pour hémopathies (moelle et sang) 50714 - Caryotype pour tumeur solide 50649 - Caryotype villosités choriales sur technique directe
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**PM2-27 ER / PgR (IHC): PM2** CAP	B	2027-10-25	ER IHC Interp PgR IHC Interp	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus) 60189 - Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	02.3 Diagnostic moléculaire infectiologie	**PEEQM-16-27 Virologie – Virus respiratoires (Influenza A et B, VRS et SRAS-CoV-2)** LSPQ	A	2027-10-25	Influenza A Influenza B VRS SRAS-CoV-2	45048 - Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45050 - Influenza A et B; avec ou sans sous-typage incluant amplification (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique 45034 - Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45027 - Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (plateforme m2000/Alinity-m) 45028 - Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Cobas 5800/6800/8800) 45029 - Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Seegene) 45051 - Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45052 - Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45053 - Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45054 - Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45130 - Virus respiratoire syncytial (VRS); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45131 - Virus respiratoire; détection multiplex 3 virus (influenza A, influenza B et VRS) (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée sur spécimen clinique 45031 - Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45033 - Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (test rapide, trousse homologuée) sur spécimen clinique

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API230-27 FSC, différentiel en 5 parties et réticulocytes - 5C (Coulter DxH600,800,900)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Erythrocyte Count (x 10E12/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) Platelet Count (x10E9/L) Nucleated RBCs (%) Nucleated RBCs (x10E9/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) MPV (fL) RDW-CV (%) RDW-SD (fL) Reticulocyte Count (%) Reticulocyte Count (x10E9/L) IRF (%)	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé) 20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API238-27 FSC, différentiel en 5 parties et réticulocytes - 5S (Sysmex)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Erythrocyte Count (x 10E12/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) IG (%) IG (x10E9/L) IPF (%) Platelet Count (x10E9/L) Nucleated RBCs (%) Nucleated RBCs (x10E9/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) MPV (fL) RDW-CV (%) RDW-SD (fL) Reticulocyte Count (%) Reticulocyte Count (x10E9/L) IRF (%) RET-He (pg)	20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé) 20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20470 - Réticulocytes (automatisé)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API206-27 Liquides biologiques - Décomptes cellulaires (automates)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Erythrocytes (cells/uL) Erythrocytes (x10E12/L) Leukocytes (cells/uL) Leukocytes (x10E9/L) Mononuclear cells (%) Polymorphonuclear cells (%) Total nucleated cells (x10E9/L) Total nucleated cells (x10E6/L)	20358 - Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API228-27 Vitesse de sédimentation - A (manuelle ou automatisée)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée 20490 - Sédimentation manuelle
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API203-27 Vitesse de sédimentation - D (Alcor iSED)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API280-27 Vitesse de sédimentation - E (Alifax)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Sedimentation rate (mm/hr)	20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API224-27 Identification de cellules sur frottis sanguin (avec différentiel manuel)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Blood Cell Identification Blood Cell Identification - Edu Basophils - Edu (%) Eosinophils - Edu (%) Lymphocytes - Edu (%) Lymphocytes, reactive - Edu (%) Monocytes - Edu (%) Neutrophils, band - Edu (%) Neutrophils, segmented - Edu (%) Neutrophils, seg or band - Edu (%) Nucleated RBCs - Edu (%) Blasts - Edu (%) Immature Cells - Edu (%) Metamyelocytes - Edu (%) Myelocytes - Edu (%) Promyelocytes - Edu (%) Platelet estimate - Edu RBC Morphology - Edu	20362 - Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration) 20363 - Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API257-27 Liquides biologiques - Identification de cellules et cristaux (virtuel)** API (Somagen)	2	2027-10-25	Body fluid microscopy	20321 - Différentielle manuelle avec cytospin
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API277-27 Liquides biologiques - Décomptes cellulaires et différentiel (manuel)** API (Somagen)	2	2027-10-25	Erythrocytes (cells/uL) Leukocytes (cells/uL) Basophils (%) Eosinophils (%) Lymphocytes (%) Monocytes (%) Neutrophils (%) Mononuclear cells (%) Polymorphonuclear cells (%) Cristaux (ID)	20320 - Décompte manuel des liquides 20321 - Différentielle manuelle avec cytospin

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	**API279-27 FSC et différentiel en 5 parties - 5H (Coulter DxH500,520,560)** API (Somagen)	3	2027-10-25	Basophils (%) Basophils (x10E9/L) Eosinophils (%) Eosinophils (x10E9/L) Erythrocyte Count (x 10E12/L) Hematocrit (%) Hematocrit (L/L) Hemoglobin (g/dL) Hemoglobin (g/L) Leukocyte Count (x 10E9/L) Lymphocytes (%) Lymphocytes (x10E9/L) MCH (pg) MCHC (g/dL) MCHC (g/L) MCV (fL) Monocytes (%) Monocytes (x10E9/L) MPV (fL) Neutrophils (%) Neutrophils (x10E9/L) Platelet Count (x10E9/L) RDW-CV (%) RDW-SD (fL)	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Pathologie et cancérologie	02.1 Diagnostic moléculaire divers	**2027DNAP Extraction d'ADN : tissu fixé à la formaline paraffiné (FFPE)** GenQA	Option Coupe montée sur lame	2027-11-01	Quantité d'ADN extrait - FFPE Volume d'ADN extrait - FFPE Qualité de l'ADN extrait - FFPE	75008 - Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné
Pathologie et cancérologie	02.1 Diagnostic moléculaire divers	**2027DNAP Extraction d'ADN : tissu fixé à la formaline paraffiné (FFPE)** GenQA	Option Coupe roulée	2027-11-01	Quantité d'ADN extrait - FFPE Volume d'ADN extrait - FFPE Qualité de l'ADN extrait - FFPE	75008 - Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné
Hématologie - Banque de sang	05.1 Hématologie cyto-chimie 06.0 Banque de sang générale 05.6 Hématologie immunocytométrie	**HEMA-FMH-27 Hémorragie fœto-maternelle** IQMH	2	2027-11-01	Cellules foetales - Recherche Cellules foetales - %	10021 - Cellules foetales (quantitatif) (Kleihauer) 10020 - Cellules foetales (agglutination) (dépistage) (qualitatif) 21002 - Recherche d'hémoglobine fœtale (cytométrie de flux)
Hématologie - Banque de sang		**ANA-27 Anticorps antinucléaires (ANA)** CAP	C	2027-11-08	ANA - Dépistage ANA - Quantification ANA - Profils de coloration	20717 - Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution)
Microbiologie	02.3 Diagnostic moléculaire infectiologie 07.1 Microbiologie bactériologie	**PEEQM-26-27 Bactériologie - Clostridioides difficile** LSPQ	A	2027-11-08	C. difficile - GDH (Ag) C.difficile-Gène de la toxine B C.difficile-Toxine B	45021 - Clostridioides difficile; détection du gène de la toxine B (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45026 - Clostridioides difficile; détection du gène de la toxine B (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée) 40007 - Clostridioides difficile (Ag) glutamate déshydrogénase (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles) 40352 - Clostridioides difficile (GDH) + (toxines A et B) (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles) 40264 - Clostridioides difficile (toxines A et B) (test rapide) (ELISA sur membrane) (selles) 41382 - Clostridioides difficile (toxines A et B) (ELISA sur microplaque) (selles)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	**PEEQPC-03-27 Immunohistochimie** LSPQ	B	2027-11-10	CD45 (LCA) - coloration CD45 (RO) - coloration BCL-2 - coloration CD30 - coloration CD10 - coloration CD15 - coloration H Pylori - coloration CD31 - coloration CD8 - coloration CD4 - coloration PAX 5 (BASP) - coloration CD21 - coloration CD1A - coloration CD7 - coloration CD2 - coloration CD5 - coloration CD79a - coloration	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	**NGSST-27 Séquençage nouvelle génération - Tumeur solide NGSST** CAP	B	2027-11-22	SNG Tumeur solide (sensibilité) SNG Tumeur solide (spécificité)	65050 - GIST: CKIT et PDGFRA (12 séquençages) 65237 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement) 65238 - Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (technique seulement) 65239 - Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation) 65005 - Cancer de l'ovaire, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65007 - Cancer de la prostate, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG) 65017 - Cancer de l'endomètre; POLE – recherche de mutations sur tumeur solide (SNG) 65028 - Cancer du sein, PTEN - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)
Microbiologie	07.4 Microbiologie mycologie 02.3 Diagnostic moléculaire infectiologie	**PEEQM-29-27 Mycologie - Candida auris** LSPQ	A	2027-11-22	Candida auris - Culture Candida auris - TAAN	41050 - Levures (culture spécifique) 45015 - Candida auris; dépistage (TAAN) sur spécimen clinique 41051 - Candida auris; culture spécifique (dépistage par gélose chromogénique) sur spécimen clinique

Il n'y a pas d'activité hors programmation pour l'année 2027.