

Répertoire des activités 2025

Période d'inscriptions générales pour nos programmes de 2025 est maintenant terminée

Tout envoi de microorganismes pathogènes nécessite la confirmation au préalable que l'installation receveur possède un permis de l'ASPC valide. La note **Permis ASPC requis** est ajoutée à la section **Matrices** des sous-programmes touchés. N'oubliez pas de vérifier la validité de votre permis sur la page d'information de votre installation si vous désirez participer à l'un d'eux. **Liste des installations**

Programmation long terme du PEEQ

Microbiologie et **Pathologie/Cancérologie**.

Veillez noter que les calendriers des fournisseurs externes sont ajoutés à titre indicatif, ils sont parfois sujets à changement. Il sera important de vous référer au site de chacun d'eux au début de 2025 afin de vous assurer des dates finales d'évaluation.

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.1 Biochimie clinique	BC31 - 2025 Gaz sanguins Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Calcium ionisé Chlorure Glucose Lactate (acide lactique) Magnésium pCO2 pH pO2 Potassium Sodium	30106 - Calcium ionisé mesuré 30115 - Chlorures 30214 - Glucose 30076 - Acide lactique (par électrode spécifique) 30212 - Gaz sanguins (pO2, pCO2, pH, HCO3, COHb, méthHb, oxyHb, SulfHb, CO2 total) 30398 - Potassium 30478 - Sodium

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01. (cont.)	BC50 - 2025 Biochimie clinique mensuel Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Acide biliaires Acide urique Alanine amino-transférase (ALT) Albumine Amylase pancréatique Amylase totale Aspartate amino-transférase (AST) Bilirubine directe Bilirubine totale Calcium ionisé mesuré Calcium total Capacité de fixation du fer totale (TIBC) Capacité de fixation du fer latente/insaturée (UIBC) Chlorures Cholestérol - HDL Cholestérol - LDL Cholestérol total Cholinestérase Cortisol CK total Créatinine Cuivre CO2 total Fer Gamma-glutamyl transférase (GGT) Glucose Acide lactique (lactate) Lactate déshydrogénase (LD) Lipase Lithium Magnésium Osmolalité Phosphatase alcaline Phosphore Potassium Protéines totales Sodium T4 libre T4 totale Transferrine Triglycérides T3 libre T3 totale TSH (hormone thyroïdienne) Urée Zinc	30535 - Acide biliaires totaux (dosage) 30013 - Acide urique 30016 - Alanine amino-transférase (ALT) 30017 - Albumine 30032 - Amylase pancréatique 30030 - Amylase totale 30060 - Aspartate amino-transférase (AST) 30083 - Bilirubine directe (conjuguée) 30084 - Bilirubine totale 30106 - Calcium ionisé mesuré 30105 - Calcium total 30190 - Fer (capacité de fixation) (UIBC ou TIBC) 30115 - Chlorures 30116 - Cholestérol - HDL 30117 - Cholestérol - LDL (mesuré) 30119 - Cholestérol total 30128 - Cortisol sérique ou urinaire sans extraction 30130 - CK total 30132 - Créatinine 30124 - CO2 total ou bicarbonate (dosage seulement) 30191 - Fer (sérum) 30210 - Gamma glutamyl transférase (GGT) 30214 - Glucose 30076 - Acide lactique (par électrode spécifique) 30301 - Lactate déshydrogénase (LD) 30306 - Lipase 30692 - Lithium (Li) 30332 - Magnésium total 30362 - Osmolalité 30386 - Phosphatase alcaline 30391 - Phosphore 30398 - Potassium 30405 - Protéines totales (sérum) 30478 - Sodium 30502 - T4L (thyroxine libre) 30511 - Transferrine 30512 - Triglycérides 30500 - T3 total (triiodothyronine totale) ou libre 30516 - TSH (hormone thyroïdienne) 30531 - Urée 30980 - Zinc (spectrophotométrie)
	(cont'd)1 Biochimie clinique 01.2 Biochimie hormone 01.4 Biochimie médicament 01.5 Biochimie toxicologie					(cont'd)
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 01.5 Biochimie toxicologie	BC35 - 2025 Éthanol/Ammoniac Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Ammoniac Éthanol	30029 - Ammoniac 30177 - Éthanol (alcool éthylique)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	RQ9135/a-25 RIQAS Coagulation - 5 paramètres + D-dimères Randox (ESBE)	1 à 12	2025-01-01	aPTT (ratio) aPTT (sec) Temps de prothrombine (INR) Temps de prothrombine (activité) Temps de prothrombine (ratio) Temps de prothrombine (sec) Fibrinogène (g/l) D-dimère (Pilote) Temps de thrombine (sec) Antithrombine III (activité)	20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20248 - Temps de thrombine (TT) 20014 - Antithrombine (activité) 20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers	MEN2-25 Néoplasie endocrinienne multiple de type II EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - MEN2 Qualité de l'interprétation clinique - MEN2 Précision clérical rapport - MEN2	55172 - Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); RET; (7 exons) (séquençage) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	PWAS-25 Syndromes Prader-Willi et Angelman EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - PWAS Qualité de l'interprétation clinique - PWAS Précision clérical rapport - PWAS	55298 - Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation). 55296 - Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman (MS-MLPA) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 05.5 Hématologie hémostase	BC39 - 2025 Marqueurs cardiaques Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Brain Natriuretic Peptide (BNP) CK-MB masse Homocystéine Protéine C réactive haute sensibilité (hsCRP) NT-PRO-BNP (Brain Natriuretic Peptide) Troponine I Troponine T D-dimères	30085 - BNP (Brain Natriuretic Peptide) 30123 - CK-MB masse 30235 - Homocystéine (immuno-enzymatique) 30412 - Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible) 30095 - NT-PRO-BNP (Brain Natriuretic Peptide) 30513 - Troponine T ou I 20062 - D-Dimère (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.5 Hématologie hémostase	RQ9135/b-25 RIQAS Coagulation - 16 paramètres + D-dimères Randox (ESBE)	1 à 12	2025-01-01	aPTT (ratio) aPTT (sec) Temps de prothrombine (INR) Temps de prothrombine (activité) Temps de prothrombine (ratio) Temps de prothrombine (sec) Fibrinogène (g/l) D-dimère (Pilote) Temps de thrombine (sec) Antithrombine III (activité) Facteur II (activité) Facteur V (activité) Facteur VII (activité) Facteur VIII (activité) Facteur IX (activité) Facteur X (activité) Facteur XI (activité) Facteur XII (activité) Plasminogène (activité) Protéine C (activité) Protéine S (activité)	20241 - Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA) 20243 - Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé. 20248 - Temps de thrombine (TT) 20080 - Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité) 20196 - Protéine C (activité) 20198 - Protéine S (activité) 20014 - Antithrombine (activité) 20062 - D-Dimère (automatisé) 20102 - Fibrinogène (activité) 20191 - Plasminogène (activité)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	FH-25 Hypercholestérolémie familiale autosomique dominante EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - FH Qualité de l'interprétation clinique - FH Précision cléricale rapport - FH	55111 - Hypercholestérolémie familiale (HF); LDLR; (recherche de larges variations génétiques par MLPA) 55008 - Hypercholestérolémie familiale (gène récept. LDL) (del 5-15 Kb) (TAAN) 55010 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN) 55012 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN) 55018 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL (TAAN, mutation unique) 55041 - Séquençage ciblé de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) 55043 - Panel virtuel de gènes à partir de données SNG déjà existantes pour l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéinémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) 55070 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (dyslipidémies familiales) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)
Biochimie	01.1 Biochimie clinique	12000810 - 2025 Urinalysis Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Albumine Bilirubine Corps cétoniques Créatinine Densité Glucose Grossesse (hCG) Leucocytes Nitrite pH Protéines totales Sang/hémoglobine Urobilinogène	30337 - Microalbumine (urine) 30533 - Urine (examen sommaire) 30132 - Créatinine

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.2 Biochimie hormone 01.1 Biochimie clinique	BC45 - 2025 Chimie urinaire Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Acide urique Urée Calcium total Chlorures Créatinine Glucose Magnésium Albumine Osmolalité Phosphore Potassium Protéines totales Sodium Acide homovanillique (HVA) Acide hydroxy-5 indol-acétique (5-HIAA) Acide vanylmandélique (VMA) Cortisol libre Méтанéphrine Dopamine Épinéphrine Norépinéphrine Norméтанéphrine	30245 - 5-HIAA -HVA-VMA 30013 - Acide urique 30531 - Urée 30105 - Calcium total 30115 - Chlorures 30127 - Cortisol libre urinaire incluant extraction 30132 - Créatinine 30329 - Catécholamines et méтанéphrines libres (urine) 30214 - Glucose 30332 - Magnésium total 30336 - Méтанéphrines (urine) 30337 - Microalbumine (urine) 30362 - Osmolalité 30391 - Phosphore 30398 - Potassium 30404 - Protéines totales (autres liquides) 30478 - Sodium
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 05.7 Hématologie immunologie 01.3 Biochimie immunologie	BC23 - 2025 Protéines sériques Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Alpha-1-antitrypsine Albumine Céruleplasmine Chaîne légère kappa (totale) Chaîne légère lambda (totale) Immunoglobuline A (IgA) Immunoglobuline E (IgE) Immunoglobuline G (IgG) Immunoglobuline M (IgM) Préalbumine Protéine C réactive (CRP) Protéines totales Transferrine Bêta-2 microglobuline Facteur rhumatoïde Complément C3 Complément C4 Haptoglobine Alpha-2 macroglobuline Antistreptolysine O (ASO)	30065 - Alpha-1-antitrypsine (sérique) 30017 - Albumine 30114 - Céruleplasmine 30285 - Chaines légères libres (Kappa/Lambda) (sériques) 20776 - Complément C3 (antigène) 20777 - Complément C4 (antigène) 40800 - Facteur rhumatoïde (RA) 20390 - Haptoglobine 30273 - Immunoglobulines IgA 30276 - Immunoglobulines IgE totale 30277 - Immunoglobulines IgG 30279 - Immunoglobulines IgM 30399 - Préalbumine 30412 - Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible) 30404 - Protéines totales (autres liquides) 30511 - Transferrine 20001 - Alpha-2 macroglobuline (antigène) 30080 - Bêta-2 microglobuline (β2-M)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	AZF-25 Microdélétion du chromosome Y EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - AZF Qualité de l'interprétation clinique - AZF Précision cléricale rapport - AZF	55228 - Infertilité mâle microdélétion du chromosome Y (TAAN)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	CARDIAC(HCM)-25 Génétique cardiaque, panel de gènes : Cardiomyopathies hypertrophiques EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - CARDIAC(HCM) Qualité de l'interprétation clinique - CARDIAC(HCM) Précision clérical rapport - CARDIAC(HCM)	55039 - Séquençage ciblé de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortop athies héréditaires (cardiogénétique) (core panel) (SNG) (technique seulement) 55042 - Panel virtuel de gènes associés aux cardiomyopathies (cardiogénétique) (interprétation seulement) 55081 - Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes) 55069 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	LYNCH-25 Cancer héréditaire colorectal sans polypose (Syndrome de Lynch) EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - LYNCH Qualité de l'interprétation clinique - LYNCH Précision clérical rapport - LYNCH	55148 - Cancer du côlon; MLH1, MSH2, MSH6, PMS2; (séquençage, mutation individuelle) 55160 - Cancer du côlon; MSH6; régions codantes complètes (séquençage) 55158 - Cancer du côlon; MSH2; régions codantes complètes (séquençage) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation) 55386 - Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du côlon analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement) 55154 - Cancer du côlon; MLH1; régions codantes complètes (séquençage)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	PKU-25 Phénylcétonurie EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - PKU Qualité de l'interprétation clinique - PKU Précision clérical rapport - PKU	55266 - Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, régions codantes complètes) 55268 - Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, mutation individuelle) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01.1 Biochimie clinique	BC47 - 2025 Lipides Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Apolipoprotéine A1 Apolipoprotéine B Cholestérol - HDL Cholestérol - LDL Cholestérol total Lipoprotéine (a) Triglycérides	30052 - Apolipoprotéine A1 30054 - Apolipoprotéine B 30116 - Cholestérol - HDL 30117 - Cholestérol - LDL (mesuré) 30119 - Cholestérol total 30308 - Lipoprotéine a (Lp(a)) 30512 - Triglycérides
Biochimie	01.1 Biochimie clinique 05.3 Hématologie érythrocytaire	BC80 - 2025 Hémoglobine Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Hémoglobine glyquée (HbA1c) Hémoglobine A2	30248 - Hémoglobine glyquée (HbA1c) 20902 - Hémoglobine A2

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Biochimie	01. (cont.)	BC75 - 2025 Mensuel d'immunoessais Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Vitamine D 25-OH Enzyme de conversion angiotensine (ACE) Alpha foetoprotéine (AFP) Antigène carcino-embryonnaire (CEA) CA 125 CA 15-3 ou 27-29 CA 19-9 CA 27.29 Ferritine Acide folique (folates) Fructosamine Immunoglobuline E (IgE) Antigène prostatique libre (PSA libre) Antigène prostatique spécifique (PSA spécifique) Transferrine Vitamine B12 Bêta-2 microglobuline 11-Déoxycortisol 17-Hydroxyprogestérone Hormone adrénocorticotropique (ACTH) Aldostérone Androstènedione Peptide C Calcitonine Cortisol DHEA Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S) Hormone folliculo-stimulante (FSH) Gastrine Hormone gonadotrope chorionique (HCG) Hormone de croissance (HGH) Insuline Hormone lutéinisante (LH) Estradiol Progestérone Prolactine Hormone parathyroïdienne (PTH) Rénine Sex hormone binding globulin (SHBG) Testostérone Thyroglobuline Thyroxine Binding Globulin (TBG) T4 libre T3 libre T3 totale TSH (hormone thyroïdienne) Acide valproïque Carbamazépine Digoxine Phénobarbital Phénytoïne Théophylline Estriol libre Activité rénine plasmatique (PRA) Testostérone libre	30077 - Bloc surrénalien (prégnénolone, 17-OH prégnénolone, 17-OH progestérone et 11-déoxycortisol) 30556 - Vitamine D 25 OH 30176 - Enzyme de conversion angiotensine (ACE) 30401 - Progestérone (17-hydroxy) 30601 - Acide valproïque 30237 - Hormone adrénocorticotropique (ACTH) 30020 - Aldostérone (sérique) 30022 - Alpha foetoprotéine (AFP) 30034 - Androstènedione 30038 - Antigène carcino-embryonnaire (CEA) 30382 - Peptide C 30100 - CA 125 30101 - CA 15-3 ou 27-29 30102 - CA 19-9 30104 - Calcitonine 30630 - Carbamazépine 30128 - Cortisol sérique ou urinaire sans extraction 30150 - Déhydroépiandrostérone (DHEA) 30151 - Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S) 30193 - Ferritine 30009 - Acide folique (folates) 30196 - Fructosamine 30240 - Hormone folliculo-stimulante (FSH) 30211 - Gastrine 30242 - Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum) (quantitatif) 30239 - Hormone de croissance (HGH) 30276 - Immunoglobulines IgE totale 30283 - Insuline 30243 - Hormone lutéinisante (LH) 30360 - Oestradiol-17B 30140 - Estriol libre 30730 - Phénobarbital 30731 - Phénytoïne 30400 - Progestérone 30402 - Prolactine 30407 - Antigène prostatique libre (PSA) 30039 - Antigène prostatique spécifique (PSA) 30244 - Hormone parathyroïdienne (PTH) 30450 - Rénine 30477 - Sex hormone binding globulin (SHBG) 30506 - Testostérone totale 30771 - Théophylline 30508 - Thyroglobuline 30502 - T4L (thyroxine libre) 30511 - Transferrine 30500 - T3 total (triiodothyronine totale) ou libre 30516 - TSH (hormone thyroïdienne) 30553 - Vitamine B12 30080 - Bêta-2 microglobuline (β2-M)

(cont'd)2 Biochimie hormone 01.1
Biochimie clinique 01.4 Biochimie médicament 03.1 Dépistage prénatal

(cont'd)

(cont'd)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	CARDIAC(ARR)-25 Génétique cardiaque, panel de gènes : Arythmies EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - CARDIAC(ARR) Qualité de l'interprétation clinique - CARDIAC(ARR) Précision clérical rapport - CARDIAC(ARR)	55067 - Panel virtuel de gènes associées aux arythmies héréditaires (cardiogénétique) (interprétation seulement) 55039 - Séquençage ciblé de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortop athies héréditaires (cardiogénétique) (core panel) (SNG) (technique seulement) 55069 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)
Biochimie	01.4 Biochimie médicament 01.1 Biochimie clinique 01.5 Biochimie toxicologie	BC10 - 2025 Suivi des médicaments Bio-Rad	1 à 12	2025-01-01	Caféine Acétaminophène Acide valproïque Amikacine Carbamazépine Cyclosporine Digoxine Ethosuximide Gentamicine Lithium Méthotrexate Phénobarbital Phénytoïne Primidone Salicylates Théophylline Tobramycine Vancomycine Dépistage des antidépresseurs tricycliques (TCA)	30600 - Acétaminophène 30601 - Acide valproïque 30602 - Amikacine 30103 - Caféine 30630 - Carbamazépine 30631 - Cyclosporine (Neoral®) 30607 - Antidépresseurs tricycliques (autre que bandelette) (automatisé) (immunoenzymatique) 30640 - Digoxine 30178 - Ethosuximide (Zarontin®) 30671 - Gentamicine 30692 - Lithium (Li) 30702 - Méthotrexate 30730 - Phénobarbital 30731 - Phénytoïne 30733 - Primidone (incluant phénobarbital) (Mysoline®) 30760 - Salicylates 30771 - Théophylline 30773 - Tobramycine 30780 - Vancomycine

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	HBOC(PANEL)-25 Cancer héréditaire du sein et de l'ovaire (Panel) EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - HBOC(PANEL) Qualité de l'interprétation clinique - HBOC(PANEL) Précision clérical rapport - HBOC(PANEL)	55378 - Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'ovaire analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 55376 - Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du sein analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement) 55374 - Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation)
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers	POLYPOSIS-25 Syndromes de polypose (FAP, MAP) EMQN	A	2025-01-01	Précision du génotypage - POLYPOSIS Qualité de l'interprétation clinique - POLYPOSIS Précision clérical rapport - POLYPOSIS	55388 - Panel virtuel ciblé de gènes associés aux polyposes colorectales analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) (excluant le syndrome de Lynch) 55280 - Polypose intestinale multiple; MUTYH (REB), panel de mutations 55274 - Polypose adénomateuse colique; APC; (MLPA) recherche de duplication / délétion. 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)
Pathologie et cancérologie	08.3 Pathologie cytologie	PEEQPC-01-25 Cytopathologie LSPQ	B	2025-01-08	Interprétation de lames gynécologiques Interprétation de lames non-gynécologiques	60470 - Frottis cervicaux-vaginaux (lecture seulement) 60472 - Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (lecture seulement)
Pathologie et cancérologie	08.3 Pathologie cytologie	PEEQPC-01-25 Cytopathologie LSPQ	A	2025-01-08	Interprétation de lames gynécologiques Interprétation de lames non-gynécologiques	60470 - Frottis cervicaux-vaginaux (lecture seulement) 60472 - Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (lecture seulement)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.5 Microbiologie parasitologie	PEEQM-09-25 Parasitologie sanguine LSPQ	A	2025-01-27	Détection de parasites sanguins Identification de parasites sanguins Taux de parasitémie Décision d'effectuer une déclaration MADO	41121 - Malaria (frottis + goutte épaisse) (préparation et coloration) 41122 - Malaria (lecture et identification, incluant % parasitémie) 41150 - Parasites dans le sang, tissus et liquides biologiques (détection) (sauf malaria, Trichomonas)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	CYH 2025 HER2 FISH: CYH CAP	A	2025-02-03	HER2 Préparation et interprétation FISH HER2 Interprétation FISH (défi virtuel)	65008 - Cancer du sein et de l'estomac, détection (ERBB2 ou HER2/neu) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	J-25 Médecine Transfusionnelle - Manuelle CAP	A	2025-02-03	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Identification d'anticorps - Manuelle Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel	10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	JXM-25 Médecine transfusionnelle (compatibilité électronique) - Manuelle CAP	A	2025-02-03	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Identification d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel Compatibilité électronique	10511 - Émission produit sanguin labile ou stable (incluant compatibilité électronique), de tissu ou de lait maternel 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	ISH 2025 Hybridation in situ - ISH CAP	A	2025-02-03	Kappa/Lambda (ISH interprétation) EBV VPH (ISH interprétation)	65021 - Détection du virus du papillome humain (VPH) par hybridation in situ chromogénique (RNAScope) 65160 - Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation in situ chromogénique (CISH)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie Diagnostic moléculaire hémato- oncologie	MTP 2025 Tumeurs solides : panel multigènes CAP	A	2025-02-10	BRAF EGFR ERBB2 (HER2) PDGFRA PIK3CA KIT NRAS	65025 - Recherche mutations dans le gène BRAF par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN) 65023 - Recherche mutations dans le gène EGFR par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN) 65011 - Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); EGFR; mutation Thr790Met (exon 20) sur ADN tumoral circulant (biopsie liquide) 65070 - Cancer du côlon; KRAS, recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4) (TAAN) 65026 - Recherche mutations dans le gène KRAS par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN) 65149 - Cancer du côlon; NRAS, recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4; codons 12, 13, 61 et 146) (TAAN) 65180 - Syndrome hyperéosinophilique (FIP1L1- PDGFRA de la délétion 4q12) (TAAN) 65002 - Cancers; BRAF, détection de la mutation Val600Glu (TAAN) 65006 - Cancer du poumon; EGFR (exons 18 - 21) panel de mutations somatiques (TAAN)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	PEEQPC-02-25 Colorations histochimiques LSPQ	A	2025-02-11	HE - Bloc tissulaire paraffiné HPS - Bloc tissulaire paraffiné HES - Bloc tissulaire paraffiné HP - Bloc tissulaire paraffiné HE - Tissu frais/congelé HPS - Tissu frais/congelé HES - Tissu frais/congelé HP - Tissu frais/congelé	60200 - Coloration de routine 60141 - Examen extemporané (coloration incluse) 60050 - Coloration spéciale
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	PEEQM-24-25 Bactériologie - Lait maternel LSPQ	A (Lait maternel non pasteurisé)	2025-02-12	Identification - lait maternel non pasteurisé Dénombrement bactérien - lait maternel non pasteurisé	Identification bactérienne - lait maternel non pasteurisé - HQ001 Dénombrement bactérien - lait maternel non pasteurisé - HQ002
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	DAT-25 Test direct à l'antiglobuline (Coombs direct) - Manuel CAP	A	2025-02-17	Test direct à l'antiglobuline - Manuel	10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	NGS-25 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres constitutionnels (CAP) CAP	A	2025-02-24	Sensibilité et spécificité du génotypage - NGS	55039 - Séquençage ciblé de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55041 - Séquençage ciblé de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) 55081 - Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55212 - Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; DMD; (déletion/duplication) 55218 - Fibrose Kystique (FK); CFTR (séquençage, mutation individuelle) 55221 - Fibrose kystique (FK); CFTR (SNG) 55250 - Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; HEXA; (SNG,déletion récurrente Canadienne-Française) 55252 - Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG) 55256 - Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation) 55266 - Phénylcétonurie (PCU); PAH (SNG) 55268 - Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, mutation individuelle) 55288 - Surdit� non syndromique; GJB2, Connexine 26; (séquençage, r�gions codantes compl�tes) 55290 - Surdit� non syndromique; GJB2, GJB6; (s�quençage, mutation individuelle) 55300 - Syndrome de RETT, g�ne MECP2 (s�quençage et MLPA) 55356 - S�quençage des g�nes SOD1, FUS et TARDBP (SNG) 55365 - S�quençage des g�nes li�s au syndrome de Noonan/RASopathie (pr�natal et postnatal)(SNG) 75020 - S�quençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies g�n�tiques (SNG)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.3 Pathologie cytologie 08.1 Pathologie clinique	PEEQPC-04-25 Cytopathologie - Technique LSPQ	A	2025-02-26	Papanicolaou HE - bloc cellulaire paraffiné HPS - bloc cellulaire paraffiné HES - bloc cellulaire paraffiné HP - bloc cellulaire paraffiné	60442 - Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation et coloration) 60471 - Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (préparation et coloration) 60200 - Coloration de routine
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	PEEQGMH-01-25 Maladies héréditaires récessives liées à un effet fondateur au Québec LSPQ	A	2025-03-10	NM_133647.1 (SLC12A6): c.2436+1del NM_014363.6 (SACS): c.7504C>T, p.(Arg2502*) NM_133259.4 (LRPPRC): c.1061C>T, p.Ala354Val NM_000137.4 (FAH): c.1062+5G>A NM_014363.6 (SACS): c.8844del, p.(Ile2949Phefs*4)	55312 - Offre populationnelle - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC- SLSJ); TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement de cellules buccales 55313 - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique) 55314 - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC- SLSJ); TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique 55311 - Offre populationnelle - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.2 Diagnostic moléculaire hématologie	MGL1-25 Génétique moléculaire - série 1 (CAP/ACMG) CAP	A	2025-03-10	Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Génotypage Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Génotypage Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Interprétation Hémochromatose (gène HFE) - Génotypage Hémochromatose (gène HFE) - Interprétation Méthylentetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T - Génotypage Méthylentetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T et c.1286A>C - Interprétation Méthylentetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.1286A>C - Génotypage Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Génotypage. Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Interprétation Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle maternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle paternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Interprétation Prothrombine (P, gène F2) - Génotypage Prothrombine (P, gène F2) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Statut de mutation	55224 - Hémochromatose héréditaire type I; HFE (TAAN) 55294 - Syndrome de l'X fragile; FMR1 (expansion de trinuécléotides) 55298 - Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation). 25021 - Facteur V Leiden (TAAN) 25040 - Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN)
Microbiologie	02.3 Diagnostic moléculaire infectiologie	PEEQM-04-25 Bactériologie - TAAN carbapénémases LSPQ	A	2025-03-17	KPC NDM OXA-48 IMI/NMC SME IMP VIM GES	40018 - Carbapénémase (TAAN) (trousse non homologuée) 45017 - Carbapénémase (TAAN) (trousse homologuée ou canal ouvert)
Pathologie et oncologie	04.2 Génétique cytogénétique	CYL 2025 Tissus de lymphome (FISH): CYL CAP	A	2025-03-17	FISH Interprétation - Lymphome	50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde) 50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase
Pathologie et oncologie	08.1 Pathologie clinique	HER2 2025 HER2 Immunohistochimie : HER2 CAP	A	2025-03-17	HER2 IHC Interprétation	60570 - Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)
Pathologie et oncologie	04.2 Génétique cytogénétique	CYK 2025 Tumeurs solides (FISH): CYK CAP	A	2025-03-17	FISH Interprétation -Tumeurs solides	50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde) 50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	RBCAT-25 Phénotype (antigène) érythrocytaire - Manuel CAP	A	2025-03-17	Phénotype (antigène) érythrocytaire - Manuel	10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)
Hématologie - Banque de sang	05.7 Hématologie immunologie	ANA-25 Anticorps antinucléaires (ANA) CAP	A	2025-03-17	ANA - Dépistage ANA - Quantification ANA - Profils de coloration	20717 - Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution) 20719 - Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)
Pathologie et oncologie	08.1 Pathologie clinique	PEEQPC-03-25 Immunohistochimie LSPQ	A	2025-03-18	CD34 - Coloration CD34 - Interprétation Désoxynucléotidyl transférase terminale (TdT) - Coloration Désoxynucléotidyl transférase terminale (TdT) - Interprétation GATA3 - Coloration GATA3 - Interprétation Kappa - Coloration Kappa - Interprétation Lambda - Coloration Lambda - Interprétation Melan-A - Coloration Melan-A - Interprétation MART-1/Melan A - Coloration MART-1/melan A - Interprétation p53 - Coloration p53 - Interprétation	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	CY-25 Cytogénétique - Défis virtuels CAP	A	2025-03-24	Identification anomalies chromosomiques - caryotype Nomenclature - caryotype	50649 - Caryotype villosités chorales sur technique directe 50715 - Caryotype villosités chorales après culture 50710 - Caryotype (liquide amniotique) 50711 - Caryotype (sang) 50712 - Caryotype (tissus) 50713 - Caryotype pour hémopathies (moelle et sang) 50714 - Caryotype pour tumeur solide
Microbiologie	07.2 Microbiologie immunosérologie	PEEQM-13-25 Sérologie/Virologie - Hépatites virales LSPQ	A	2025-03-24	Anti-VHA IgM AgHBs Anti-HBc IgM Anti-HBs Anti-VHA IgG (ou totaux) Anti-HBc IgG (ou totaux) Anti-VHC Décision d'effectuer une déclaration MADO	20670 - Hépatite A (VHA) IgM spécifique 20671 - Hépatite A (VHA) IgG ou Ac totaux 20672 - Hépatite B (anticorps antigène de surface) (anti-HBs) IgG ou Ac totaux 20673 - Hépatite B (anti-HBc) IgG ou Ac totaux 20674 - Hépatite B (anti-HBc) IgM spécifique 20676 - Hépatite B (antigène de surface) (HbsAg) 20678 - Hépatite C (anti-VHC) IgG ou Ac totaux
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLA432-25 Fluides Corporels - Automatisé Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Numération érythrocytaire - Liquides biologiques Numération des globules blancs - Liquides biologiques	20358 - Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	CTME435-25 Médecine Transfusionnelle Complète - Automatisée et/ou manuelle Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Groupe ABO Groupe RhD Phénotype Rh Recherche d'anticorps Test de Compatibilité - Centrifugation immédiate Test de compatibilité-AHG Identification d'anticorps Phénotype (antigène) érythrocytaire donneur	10085 - Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10111 - Anticorps irréguliers (identification automatisée) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10134 - Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé) 10153 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel) 10154 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEFG435-25 Hématologie - Différentiel de 5-Partie (Sysmex) Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Indice de distribution érythrocytaire Volume plaquettaire moyen Numération plaquettaire Indice de distribution plaquettaire Basophiles % Teneur corpusculaire moyenne en hémoglobine Monocytes % Hémoglobine Éosinophiles % Concentration corpusculaire moyenne de l'hémoglobine Numération des globules blancs Hématocrite Lymphocytes % Neutrophiles % Numération érythrocytaire Numération granulocytes immatures Volume globulaire moyen nRBC % - Formatif Fraction des plaquettes immatures (IPF) - Formatif Numération neutrophiles Numération lymphocytes Numération basophiles Numération éosinophiles Numération monocytes	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale 05.1 Hématologie cyto-chimie 05.6 Hématologie immunocytométrie	FRBC432-25 Hémoglobine Foetale (GR) et Détection Cellule F Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Hémoglobine F - Quantitative Hémoglobine F - Qualitative Valeur de cellule F	10020 - Cellules foetales (agglutination) (dépistage) (qualitatif) 10021 - Cellules foetales (quantitatif) (Kleihauer) 21002 - Recherche d'hémoglobine foetale (cytométrie de flux)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	RETD432-25 Réticulocytes (Sysmex, Mindray) Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Numération érythrocytaire Décompte de réticulocytes Hémoglobine réticulocytaire (RET-He) Réticulocytes % Fraction de réticulocytes immatures (IRF)	20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	RETC432-25 Réticulocytes (Beckman Coulter) Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Numération érythrocytaire Décompte de réticulocytes Réticulocytes % Fraction de réticulocytes immatures (IRF)	20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	DATG432-25 Test direct à l'antiglobuline (Coombs direct) - Manuel ou automatisé Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Test direct à l'antiglobuline	10028 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	ERSR432-25 Vitesse de sédimentation des hématies Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Vitesse de sédimentation des hématies (VSH)	20490 - Sédimentation manuelle 20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLM432-25 Différentiel des fluides corporels Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Neutrophiles Lymphocytes Mononucléaires (Cellules mésothéliales, cellules de la muqueuse synoviale, macrophages et monocytes) Identification de cellules Autres leucocytes	20321 - Cytologie des liquides avec cytopsin
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEMD434-25 Formule et morphologie du sang périphérique Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Morphologie des globules Identification de cellules Estimation des plaquettes Neutrophiles Lymphocytes Monocytes Éosinophiles Basophiles Blastes Précurseurs myéloïdes Globules rouges nucléés (/ 100 leucocytes) Autres leucocytes	20362 - Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration) 20363 - Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLD432-25 Fluides Corporels - Manuelle Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Numération des globules blancs - Liquides biologiques Numération érythrocytaire - Liquides biologiques	20320 - Cytologie des liquides (manuelle)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEFA435-25 Hématologie - Différentiel de 5-Partie (Beckman Coulter) Oneworld Accuracy	1	2025-03-26	Hémoglobine Basophiles % Éosinophiles % Hématocrite Lymphocytes % Concentration corpusculaire moyenne de l'hémoglobine Teneur corpusculaire moyenne en hémoglobine Volume globulaire moyen Volume plaquettaire moyen Monocytes % Neutrophiles % Numération plaquettaire Indice de distribution plaquettaire Numération érythrocytaire Indice de distribution érythrocytaire Numération des globules blancs Numération neutrophiles Numération lymphocytes Numération monocytes Numération basophiles Numération éosinophiles Érythrocytes nucléés (nRBC) % Différentiel globules blancs numération Différentiel globules blancs %	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	2025GCI Syndromes d'instabilité chromosomique GenQA	A	2025-04-07	Précision de l'analyse - GCI Qualité de l'interprétation clinique - GCI Précision cléricale rapport - GCI	50740 - Diagnostic des cassures chromosomiques (Fanconi, Bloom, etc.)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	CYF-25 Hybridation in situ en fluorescence (FISH) - Désordres constitutionnels et hématologiques CAP	A	2025-04-07	Interprétation FISH désordres constitutionnels Interprétation FISH désordres hématologiques	50720 - FISH en interphase pour anomalie de nombre 50722 - FISH sur métaphase 50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation
Génétique et Maladies héréditaires	02.1 Diagnostic moléculaire divers	2025RMCC Test de contamination maternelle et sexage GenQA	A	2025-04-07	Précision de l'analyse/génotypage - RMCC Qualité de l'interprétation clinique - RMCC Précision cléricale rapport - RMCC	75004 - Contamination maternelle (TAAN)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	MHO 2025 Oncologie hématologique moléculaire: MHO CAP	A	2025-04-15	Tumeurs lymphoïdes - génotypage	65016 - Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2) 65018 - Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2) 65020 - Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2) 65132 - Lymphome à cellule du Manteau (BCL-1) (TAAN) 65138 - Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	03.1 Dépistage prénatal	NIPT-25 Test génomique prénatal non invasif (TGPNI) CAP	A	2025-04-21	Aneuploïdie autosomale Sexe foetal Âge gestationnel Âge maternel Aneuploïdie chromosomes sexuels	55305 - Test génomique prénatal non invasif (TGPNI)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	SEC1-25 Séquençage conventionnel (Sanger) - Désordres constitutionnels CAP	A	2025-04-21	Précision et interprétation du génotypage - Sanger	55318 - Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger)55012 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN)55010 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN)55002 - Apolipoprotéine E; APOE (Cys112ARG et Arg158Cys) (TAAN)55014 - Lipoprotéine lipase (gène LPL) Panel 1 (Pro207Leu, Gly188Glu, Asp9Asn) (TAAN)55016 - Lipoprotéine lipase (gène LPL) Panel 2 (Asp9Asn, Asp250Asn, Asn291Ser) (TAAN)55018 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL (TAAN, mutation unique)55069 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique)55070 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (dyslipidémies familiales)55081 - Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage)55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes)55178 - Cirrhose nord amérindienne infantile (NAIC); CIRHIN (CIRH1A); Arg565Trp; (TAAN)55180 - Craniostose, syndrome d'Apert; FGFR2 (Ser252Trp et Pro253Arg); (TAAN)55182 - Craniostose, syndrome de Muenke; FGFR3 (Pro250Arg); (TAAN)55194 - Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-1b); MPI (Arg295His)55208 - Dysplasie ectodermique hydrotique ou syndrome de Clouston; GJB6 (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asm et Ala88Val)55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage)55218 - Fibrose Kystique (FK); CFTR (séquençage, mutation individuelle)55268 - Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, mutation individuelle)55290 - Surdit� non syndromique; GJB2, GJB6; (séquençage, mutation individuelle)55302 - Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithin�mie-hyperammonin�mie-homocitrullinurie (SLC25A15:p. (cont.)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
	(cont'd)4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire					(cont'd)Phe188del (séquençage)55315 - Mucopolidose de type II (MLII); GNPTAB:c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle)55320 - Tyrosinémie héréditaire de type 1; FAH (14 exons) (séquençage Sanger)65034 - Dysplasie fibreuse / Syndrome de McCune-Albright, mutations aux codons Arg201 et Gln227 du gène GNAS1 (TAAN sur tissus)55198 - Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); SERPINA1 (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp)55223 - Fièvre méditerranéenne familiale (FMF); MEFV (Glu148Gln, Met680Ile, Met694Val, Met694Ile, et Val726Ala) (TAAN)55236 - Encéphalite Cree; TREX1 : Arg164Xaa, (TAAN)55238 - Leucoencéphalopathie Cree; eIF2B5: (Arg195His) (TAAN)
Microbiologie	07.5 Microbiologie parasitologie	PEEQM-08-25 Parasitologie intestinale LSPQ	A	2025-04-28	Identification de parasites intestinaux Décision d'effectuer une déclaration MADO	41152 - Parasites fécaux (par colorations permanentes sauf coloration iodée ou état frais) 41153 - Parasites fécaux (par concentration, état frais ou coloration iodée incluant lecture)
Microbiologie	07.4 Microbiologie mycologie	PEEQM-07-25 Mycologie - Identification et antifongogramme LSPQ	B	2025-05-05	Identification de champignons filamenteux Détection de champignons filamenteux	41072 - Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures) 41076 - Champignons filamenteux (identification manuelle) 41077 - Identification de champignons filamenteux au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF) 41071 - Mycose profonde (incluant levures)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie 07.4 Microbiologie mycologie	PEEQM-07-25 Mycologie - Identification et antifongigramme LSPQ	A	2025-05-05	Sensibilité aux antifongiques Identification de levures Détection de levures	40126 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®) 41000 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en bandelette sur gélose (ex. : E-TEST ou Liofilchem) 41050 - Levures (culture spécifique) 41072 - Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures) 41078 - Identification de levures au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF) 41055 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microdilution en bouillon - méthode CLSI ou Sensititre YeastOne (par levure) 41056 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en disque sur gélose (Kirby Bauer) - méthode CLSI 41073 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microplaque sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan® (par levure) 41071 - Mycose profonde (incluant levures)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	SARC 2025 Translocation de sarcome: SARC CAP	A	2025-05-06	Translocation de sarcome	65040 - Fibrosarcome congénital t(12;15) (TAAN) 65130 - Liposarcome myxoïde (FUS-CHOP de la t(12;16), EWSR1-CHOP de la t(12;22)) (TAAN) 65162 - Rhabdomyosarcome alvéolaire t(1;13) t(2;13) (TAAN) 65164 - Sarcome à cellules claires ou histiocytome fibreux angiomatoïde (FUS-ATF1 de la t(12;16), EWSR1- CREB1 de la t(12;22), EWSR1-CREB1 de la t(2;22)) (TAAN) 65168 - Sarcome Ewing EWS/FL1 t(11;22) et EWS/ERG t(21;22) (TAAN) 65172 - Sarcome synovial t(x;18) (TAAN) 65196 - Tumeur desmoplasique à petites cellules EWS/WT1 (TAAN) 65030 - Dermato-Fibrosarcome (COL1A1-PDGFB de la t(17;22) (TAAN sur tissus)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	CYCGH-25 Recherche de micro délétions et duplications génomiques - Anomalies constitutionnelles CAP	A	2025-05-12	Détection de variants dans le nombre de copies - CGH	50055 - Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	PM2 2025 ER / PgR (IHC): PM2 CAP	A	2025-05-19	ER IHC Interp PgR IHC Interp	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus) 60189 - Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et oncologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	NGSST 2025 Séquençage nouvelle génération - Tumeur solide NGSST CAP	A	2025-05-27	SNG Tumeur solide (sensibilité) SNG Tumeur solide (spécificité)	65003 - Cancer colorectal, KRAS, NRAS (codon 12, 13, 59, 61,117, 146), BRAF (codon 600) (SNG) 65050 - GIST: CKIT et PDGFRA (12 séquençages) 55165 - Cancer colorectal héréditaire - Panel de gènes (SNG) 65220 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer broncho-pulmonaire (SNG) 65222 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer colorectal (SNG) (Focus Panel) 65224 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de la thyroïde (SNG) (Focus Panel) 65226 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour carcinome urothélial (SNG) (Focus Panel) 65228 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour mélanomes (SNG) (Focus Panel) 65230 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour tumeur stromale gastro-intestinale (TSGI) (SNG) (Focus Panel) 65232 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du sein (SNG) (Focus Panel) 65233 - Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du système nerveux central (SNG) 65234 - Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour autre tumeur (SNG)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	J-25 Médecine Transfusionnelle - Manuelle CAP	B	2025-06-02	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Identification d'anticorps - Manuelle Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel	10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	JXM-25 Médecine transfusionnelle (compatibilité électronique) - Manuelle CAP	B	2025-06-02	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Identification d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel Compatibilité électronique	10511 - Émission produit sanguin labile ou stable (incluant compatibilité électronique), de tissu ou de lait maternel 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	PEEQM-24-25 Bactériologie - Lait maternel LSPQ	B (Lait maternel pasteurisé)	2025-06-04	Dénombrement bactérien - lait maternel pasteurisé	Dénombrement bactérien - lait maternel pasteurisé - HQ003

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	MSI 2025 Instabilité des microsatellites: MSI CAP	A	2025-06-09	MLH1 - Statut de méthylation du promoteur Instabilité des microsatellites	55156 - Cancer du côlon; MLH1; méthylation du promoteur (TAAN) 65004 - Cancer du côlon; (instabilité des microsatellites, consensus 5 marqueurs)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	MMR 2025 Réparation des mésappariements (IHC): MMR CAP	A	2025-06-09	MLH1 MSH2 MSH6 PMS2	60042 - Cancer colorectal; MSI (MSH, MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (immunohistochimie)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	CTME435-25 Médecine Transfusionnelle Complète - Automatisée et/ou manuelle Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Groupe ABO Groupe RhD Phénotype Rh Recherche d'anticorps Test de Compatibilité - Centrifugation immédiate Test de compatibilité-AHG Identification d'anticorps Phénotype (antigène) érythrocytaire donneur	10085 - Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10111 - Anticorps irréguliers (identification automatisée) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10134 - Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé) 10153 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel) 10154 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEFG435-25 Hématologie - Différentiel de 5-Partie (Sysmex) Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Indice de distribution érythrocytaire Volume plaquettaire moyen Numération plaquettaire Indice de distribution plaquettaire Basophiles % Teneur corpusculaire moyenne en hémoglobine Monocytes % Hémoglobine Éosinophiles % Concentration corpusculaire moyenne de l'hémoglobine Numération des globules blancs Hématocrite Lymphocytes % Neutrophiles % Numération érythrocytaire Numération granulocytes immatures Volume globulaire moyen nRBC % - Formatif Fraction des plaquettes immatures (IPF) - Formatif Numération neutrophiles Numération lymphocytes Numération basophiles Numération éosinophiles Numération monocytes	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	ERSR432-25 Vitesse de sédimentation des hématies Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Vitesse de sédimentation des hématies (VSH)	20490 - Sédimentation manuelle 20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEMD434-25 Formule et morphologie du sang périphérique Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Morphologie des globules Identification de cellules Estimation des plaquettes Neutrophiles Lymphocytes Monocytes Éosinophiles Basophiles Blastes Précurseurs myéloïdes Globules rouges nucléés (/ 100 leucocytes) Autres leucocytes	20362 - Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration) 20363 - Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	DATG432-25 Test direct à l'antiglobuline (Coombs direct) - Manuel ou automatisé Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Test direct à l'antiglobuline	10028 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEFA435-25 Hématologie - Différentiel de 5-Partie (Beckman Coulter) Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Hémoglobine Basophiles % Éosinophiles % Hématocrite Lymphocytes % Concentration corpusculaire moyenne de l'hémoglobine Teneur corpusculaire moyenne en hémoglobine Volume globulaire moyen Volume plaquettaire moyen Monocytes % Neutrophiles % Numération plaquettaire Indice de distribution plaquettaire Numération érythrocytaire Indice de distribution érythrocytaire Numération des globules blancs Numération neutrophiles Numération lymphocytes Numération monocytes Numération basophiles Numération éosinophiles Érythrocytes nucléés (nRBC) % Différentiel globules blancs numération Différentiel globules blancs %	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	RETD432-25 Réticulocytes (Sysmex, Mindray) Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Numération érythrocytaire Décompte de réticulocytes Hémoglobine réticulocytaire (RET-He) Réticulocytes % Fraction de réticulocytes immatures (IRF)	20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	RETC432-25 Réticulocytes (Beckman Coulter) Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Numération érythrocytaire Décompte de réticulocytes Réticulocytes % Fraction de réticulocytes immatures (IRF)	20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLD432-25 Fluides Corporels - Manuelle Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Numération des globules blancs - Liquides biologiques Numération érythrocytaire - Liquides biologiques	20320 - Cytologie des liquides (manuelle)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale 05.1 Hématologie cyto-chimie 05.6 Hématologie immunocytométrie	FRBC432-25 Hémoglobine Foetale (GR) et Détection Cellule F Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Hémoglobine F - Quantitative Hémoglobine F - Qualitative Valeur de cellule F	10020 - Cellules foetales (agglutination) (dépistage) (qualitatif) 10021 - Cellules foetales (quantitatif) (Kleihauer) 21002 - Recherche d'hémoglobine foetale (cytométrie de flux)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLM432-25 Différentiel des fluides corporels Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Neutrophiles Lymphocytes Mononucléaires (Cellules mésothéliales, cellules de la muqueuse synoviale, macrophages et monocytes) Identification de cellules Autres leucocytes	20321 - Cytologie des liquides avec cytospin
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLA432-25 Fluides Corporels - Automatisée Oneworld Accuracy	2	2025-06-25	Numération érythrocytaire - Liquides biologiques Numération des globules blancs - Liquides biologiques	20358 - Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	CYH 2025 HER2 FISH: CYH CAP	B	2025-06-30	HER2 Préparation et interprétation FISH HER2 Interprétation FISH (défi virtuel)	65008 - Cancer du sein et de l'estomac, détection (ERBB2 ou HER2/neu) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	ISH 2025 Hybridation in situ - ISH CAP	B	2025-06-30	Kappa/Lambda (ISH interprétation) EBV VPH (ISH interprétation)	65021 - Détection du virus du papillome humain (VPH) par hybridation in situ chromogénique (RNAScope) 65160 - Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation in situ chromogénique (CISH)
Pathologie et cancérologie	04.2 Génétique cytogénétique	CYL 2025 Tissus de lymphome (FISH): CYL CAP	B	2025-07-28	FISH Interprétation - Lymphome	50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde) 50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase
Pathologie et cancérologie	04.2 Génétique cytogénétique	CYK 2025 Tumeurs solides (FISH): CYK CAP	B	2025-07-28	FISH Interprétation -Tumeurs solides	50729 - FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde) 50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation 50720 - FISH en interphase
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.2 Diagnostic moléculaire hématologie	MGL1-25 Génétique moléculaire - série 1 (CAP/ACMG) CAP	B	2025-08-04	Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Génotypage Facteur V Leiden (FVL, gène F5) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Génotypage Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Interprétation Hémochromatose (gène HFE) - Génotypage Hémochromatose (gène HFE) - Interprétation Méthylentetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T - Génotypage Méthylentetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.665C>T et c.1286A>C - Interprétation Méthylentetrahydrofolate reductase (MTHFR gene) c.1286A>C - Génotypage Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Génotypage. Inhibiteur de l'activateur du plasminogène 1 (PAI-1, gène SERPINE1) - Interprétation Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle maternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Génotypage allèle paternel Syndrome Prader Willi/Angelman - Interprétation Prothrombine (P, gène F2) - Génotypage Prothrombine (P, gène F2) - Interprétation Syndrome X Fragile (FX, gène FMR1) - Statut de mutation	55224 - Hémochromatose héréditaire type I; HFE (TAAN) 55294 - Syndrome de l'X fragile; FMR1 (expansion de trinuécléotides) 55298 - Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation). 25021 - Facteur V Leiden (TAAN) 25040 - Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.7 Hématologie immunologie	ANA-25 Anticorps antinucléaires (ANA) CAP	B	2025-08-11	ANA - Dépistage ANA - Quantification ANA - Profils de coloration	20717 - Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution) 20719 - Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	HER2 2025 HER2 Immunohistochimie : HER2 CAP	B	2025-08-18	HER2 IHC Interprétation	60570 - Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie Diagnostic moléculaire hémato-oncologie	MTP 2025 Tumeurs solides : panel multigènes CAP	B	2025-08-18	BRAF EGFR ERBB2 (HER2) PDGFRA PIK3CA KIT NRAS	65025 - Recherche mutations dans le gène BRAF par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN) 65023 - Recherche mutations dans le gène EGFR par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN) 65011 - Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); EGFR; mutation Thr790Met (exon 20) sur ADN tumoral circulant (biopsie liquide) 65070 - Cancer du côlon; KRAS, recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4) (TAAN) 65026 - Recherche mutations dans le gène KRAS par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN) 65149 - Cancer du côlon; NRAS, recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4; codons 12, 13, 61 et 146) (TAAN) 65180 - Syndrome hyperéosinophilique (FIP1L1-PDGFR de la délétion 4q12) (TAAN) 65002 - Cancers; BRAF, détection de la mutation Val600Glu (TAAN) 65006 - Cancer du poumon; EGFR (exons 18 - 21) panel de mutations somatiques (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	2025PGXD Pharmacogénomique : gène DPYD GenQA	A	2025-08-18	Précision du génotypage - PGXD Qualité de l'interprétation clinique - PGXD Précision clérical rapport - PGXD	65036 - Dihydropyrimidine déshydrogénase (DPYD), mutations c.1905+1G>A (DPYD*2A), c.2846A>T, c.1679T>G et c.1129-5923C>G (TAAN)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	CYF-25 Hybridation in situ en fluorescence (FISH) - Désordres constitutionnels et hématologiques CAP	B	2025-08-25	Interprétation FISH désordres constitutionnels Interprétation FISH désordres hématologiques	50720 - FISH en interphase pour anomalie de nombre 50722 - FISH sur métaphase 50719 - FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	PARP(G)-25 Cancer héréditaire du sein, de l'ovaire, de la prostate et du pancréas (PARPi) - ADN EMQN	A	2025-09-01	Précision du génotypage - PARP(G) Qualité de l'interprétation clinique - PARP(G) Précision clérical rapport - PARP(G)	55171 - Cancer du sein, cancer de l'ovaire, héréditaire; BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations (SNG) 55376 - Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer du sein analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) 55382 - Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer de la prostate analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) 55378 - Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'ovaire analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire	NGS(vGERMLINE)-25 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres constitutionnels EMQN	A	2025-09-01	Précision du génotypage - NGS	. (cont.)
	(cont'd)4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire Diagnostic moléculaire cancérologie héréditaire					(cont'd)
						(cont'd)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	JXM-25 Médecine transfusionnelle (compatibilité électronique) - Manuelle CAP	C	2025-09-02	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Recherche d'anticorps - Manuelle Identification d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel Compatibilité électronique	10511 - Émission produit sanguin labile ou stable (incluant compatibilité électronique), de tissu ou de lait maternel 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	PEEQPC-02-25 Colorations histochimiques LSPQ	B	2025-09-02	Fer ferrique (Méthode au Bleu de Prusse de Perls) Fer ferrique (Méthode de Schmeltzer) Fer ferrique (Méthode au Bleu de Turnbull) Fer ferrique (Méthode de Hukill et Putt) Fer colloïdal (Méthode d'Hale) Calcium (Méthode de Von Kossa) Calcium (Méthode au Rouge d'alizarine S) Mélanine (Méthode de Fontana-Masson) Mélanine (Méthode de Schmorl) Mycobactérie (AAR) (Méthode de Ziehl-Neelsen) Mycobactérie (AAR) (Méthode de FITE) Mycobactérie (AAR) (Méthode d'Auramine-rhodamine)	60050 - Coloration spéciale
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	J-25 Médecine Transfusionnelle - Manuelle CAP	C	2025-09-02	Groupe ABO - Manuel Groupe RhD - Manuel Identification d'anticorps - Manuelle Recherche d'anticorps - Manuelle Test de compatibilité - Manuel	10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	PEEQGMH-01-25 Maladies héréditaires récessives liées à un effet fondateur au Québec LSPQ	B	2025-09-08	NM_133647.1 (SLC12A6): c.2436+1del NM_014363.6 (SACS): c.7504C>T, p.(Arg2502*) NM_133259.4 (LRPPRC): c.1061C>T, p.Ala354Val NM_000137.4 (FAH): c.1062+5G>A NM_014363.6 (SACS): c.8844del, p.(Ile2949Phefs*4)	55312 - Offre populationnelle - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ); TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement de cellules buccales 55313 - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique) 55314 - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ); TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique 55311 - Offre populationnelle - Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	NGS-25 Séquençage de nouvelle génération (SNG/NGS) - Désordres constitutionnels (CAP) CAP	B	2025-09-08	Sensibilité et spécificité du génotypage - NGS	55039 - Séquençage ciblé de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement) 55041 - Séquençage ciblé de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) 55081 - Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes) 55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage) 55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes) 55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage) 55212 - Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; DMD; (déletion/duplication) 55218 - Fibrose Kystique (FK); CFTR (séquençage, mutation individuelle) 55221 - Fibrose kystique (FK); CFTR (SNG) 55250 - Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; HEXA; (SNG,déletion récurrente Canadienne-Française) 55252 - Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG) 55256 - Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation) 55266 - Phénylcétonurie (PCU); PAH (SNG) 55268 - Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, mutation individuelle) 55288 - Surdité non syndromique; GJB2, Connexine 26; (séquençage, régions codantes complètes) 55290 - Surdité non syndromique; GJB2, GJB6; (séquençage, mutation individuelle) 55300 - Syndrome de RETT, gène MECP2 (séquençage et MLPA) 55356 - Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG) 55365 - Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG) 75020 - Séquençage de l'exome germinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et oncologie	08.3 Pathologie cytologie 08.1 Pathologie clinique	PEEQPC-04-25 Cytopathologie - Technique LSPQ	B	2025-09-10	Papanicolaou HE - bloc cellulaire paraffiné HPS - bloc cellulaire paraffiné HES - bloc cellulaire paraffiné HP - bloc cellulaire paraffiné	60442 - Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation et coloration) 60471 - Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (préparation et coloration) 60200 - Coloration de routine
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	PEEQM-03-25 Bactériologie - Identification et antibiogramme LSPQ	A	2025-09-15	Sensibilité aux antibiotiques Décision d'effectuer une déclaration MADO Détection bactérienne Identification bactérienne	40046 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en bouillon) (par bactérie) 40047 - Concentration minimale inhibitrice (CMI) microplaque / carte automatisée (par bactérie) 40048 - Concentration minimale inhibitrice en diffusion (CMI) (bandelette) (par antibiotique et par bactérie) 40101 - Hémoculture (1 bouteille : aérobie ou anaérobie) 40102 - Hémoculture (2 bouteilles : aérobie + anaérobie) 40103 - Identification d'une bactérie après incubation courte, à partir d'une hémoculture, au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF) 40124 - Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF) 40125 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API) 40126 - Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®) 40127 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie) 40128 - Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF) 40130 - Coloration Gram (sur colonie) 40140 - Kirby Bauer (par bactérie) (antibiogramme par diffusion) 40165 - Liquide biologique (autre que LCR) (culture) 40201 - Staphylococcus aureus (nez) (culture) (sauf SARM) 40243 - Pus superficiel (sans recherche d'anaérobies) 40263 - Selles (culture)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	ERSR432-25 Vitesse de sédimentation des hématies Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Vitesse de sédimentation des hématies (VSH)	20490 - Sédimentation manuelle 20381 - Sédimentation automatisée
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	RETC432-25 Réticulocytes (Beckman Coulter) Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Numération érythrocytaire Décompte de réticulocytes Réticulocytes % Fraction de réticulocytes immatures (IRF)	20470 - Réticulocytes (automatisé)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale 05.1 Hématologie cyto-chimie 05.6 Hématologie immunocytométrie	FRBC432-25 Hémoglobine Foetale (GR) et Détection Cellule F Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Hémoglobine F - Quantitative Hémoglobine F - Qualitative Valeur de cellule F	10020 - Cellules foetales (agglutination) (dépistage) (qualitatif) 10021 - Cellules foetales (quantitatif) (Kleihauer) 21002 - Recherche d'hémoglobine foetale (cytométrie de flux)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEFA435-25 Hématologie - Différentiel de 5-Partie (Beckman Coulter) Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Hémoglobine Basophiles % Éosinophiles % Hématocrite Lymphocytes % Concentration corpusculaire moyenne de l'hémoglobine Teneur corpusculaire moyenne en hémoglobine Volume globulaire moyen Volume plaquettaire moyen Monocytes % Neutrophiles % Numération plaquettaire Indice de distribution plaquettaire Numération érythrocytaire Indice de distribution érythrocytaire Numération des globules blancs Numération neutrophiles Numération lymphocytes Numération monocytes Numération basophiles Numération éosinophiles Érythrocytes nucléés (nRBC) % Différentiel globules blancs numération Différentiel globules blancs %	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEFG435-25 Hématologie - Différentiel de 5-Partie (Sysmex) Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Indice de distribution érythrocytaire Volume plaquettaire moyen Numération plaquettaire Indice de distribution plaquettaire Basophiles % Teneur corpusculaire moyenne en hémoglobine Monocytes % Hémoglobine Éosinophiles % Concentration corpusculaire moyenne de l'hémoglobine Numération des globules blancs Hématocrite Lymphocytes % Neutrophiles % Numération érythrocytaire Numération granulocytes immatures Volume globulaire moyen nRBC % - Formatif Fraction des plaquettes immatures (IPF) - Formatif Numération neutrophiles Numération lymphocytes Numération basophiles Numération éosinophiles Numération monocytes	20361 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée 20364 - Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. micro-méthode (automatisé)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLD432-25 Fluides Corporels - Manuelle Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Numération des globules blancs - Liquides biologiques Numération érythrocytaire - Liquides biologiques	20320 - Cytologie des liquides (manuelle)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	HEMD434-25 Formule et morphologie du sang périphérique Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Morphologie des globules Identification de cellules Estimation des plaquettes Neutrophiles Lymphocytes Monocytes Éosinophiles Basophiles Blastes Précurseurs myéloïdes Globules rouges nucléés (/ 100 leucocytes) Autres leucocytes	20362 - Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration) 20363 - Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	CTME435-25 Médecine Transfusionnelle Complète - Automatisée et/ou manuelle Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Groupe ABO Groupe RhD Phénotype Rh Recherche d'anticorps Test de Compatibilité - Centrifugation immédiate Test de compatibilité-AHG Identification d'anticorps Phénotype (antigène) érythrocytaire donneur	10085 - Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé) 10086 - Groupe sanguin ABO-Rh (manuel) 10730 - Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire) 10024 - Compatibilité (manuelle ou automatisée) 10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10007 - Anticorps irréguliers (identification manuelle) 10150 - Anticorps irréguliers (recherche manuelle) 10111 - Anticorps irréguliers (identification automatisée) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel) 10134 - Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé) 10153 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel) 10154 - Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLA432-25 Fluides Corporels - Automatisée Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Numération érythrocytaire - Liquides biologiques Numération des globules blancs - Liquides biologiques	20358 - Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	RETD432-25 Réticulocytes (Sysmex, Mindray) Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Numération érythrocytaire Décompte de réticulocytes Hémoglobine réticulocytaire (RET-He) Réticulocytes % Fraction de réticulocytes immatures (IRF)	20470 - Réticulocytes (automatisé)
Hématologie - Banque de sang	05.2 Hématologie cytologie	BFLM432-25 Différentiel des fluides corporels Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Neutrophiles Lymphocytes Mononucléaires (Cellules mésothéliales, cellules de la muqueuse synoviale, macrophages et monocytes) Identification de cellules Autres leucocytes	20321 - Cytologie des liquides avec cytospin

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	DATG432-25 Test direct à l'antiglobuline (Coombs direct) - Manuel ou automatisé Oneworld Accuracy	3	2025-09-24	Test direct à l'antiglobuline	10028 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle) 10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.1 Diagnostic moléculaire divers	2025VGI Classification et interprétation des variants constitutionnels (NGS) GenQA	A	2025-10-06	Qualité de l'interprétation clinique - VGI Précision de la classification des variants - VGI Précision cléricale rapport - VGI	55042 - Panel virtuel de gènes associés aux cardiomyopathies (cardiogénétique) (interprétation seulement) 55067 - Panel virtuel de gènes associés aux arythmies héréditaires (cardiogénétique) (interprétation seulement) 55374 - Panel des cancers héréditaires pour les tumeurs solides (core panel) (SNG) (technique et interprétation) 55376 - Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer du sein analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) 55378 - Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer de l'ovaire analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) 55382 - Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer de la prostate analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) 55388 - Panel virtuel ciblé de gènes associés aux polyposes colorectales analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) (excluant le syndrome de Lynch) 75025 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations) 75026 - Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations) 75027 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes) 75028 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes) 75029 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes) 75030 - Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	DAT-25 Test direct à l'antiglobuline (Coombs direct) - Manuel CAP	B	2025-10-06	Test direct à l'antiglobuline - Manuel	10032 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle) 10034 - Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	PEEQPC-03-25 Immunohistochimie LSPQ	B	2025-10-07	Actine musculaire lisse (SMA) - Coloration Actine musculaire lisse (SMA) - Interprétation CD3 - Coloration CD3 - Interprétation Cytokératine 19 - Coloration Cytokératine 19 - Interprétation S100 - Coloration S100 - Interprétation Vimentin - Coloration Vimentin - Interprétation ROS - Coloration ROS - Interprétation NTRK - Coloration NTRK - Interprétation PDL1 (TPS carcinome non-à-petites cellules pulmonaire) - Coloration PDL1 (TPS carcinome non-à-petites cellules pulmonaire) - Interprétation PDL1 (TPS carcinome mammaire triple-négatif) - Coloration PDL1 (TPS carcinome mammaire triple-négatif) - Interprétation PDL1 (TPS carcinome épidermoïde ORL) - Coloration PDL1 (TPS carcinome épidermoïde ORL) - Interprétation PDL1 (CPS adénocarcinome gastrique/oesophage) - Coloration PDL1 (CPS adénocarcinome gastrique/oesophage) - Interprétation	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus) 60189 - Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte) 60040 - Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); PDL1 (immunohistochimie) 60044 - Analyse de ROS1 par immunohistochimie (IHC) 60046 - Marqueurs tumoraux spécifiques (PD-L1) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	PEEQM-24-25 Bactériologie - Lait maternel LSPQ	C (Lait maternel non pasteurisé)	2025-10-08	Identification - lait maternel non pasteurisé Dénombrement bactérien - lait maternel non pasteurisé	Identification bactérienne - lait maternel non pasteurisé - HQ001 Dénombrement bactérien - lait maternel non pasteurisé - HQ002
Pathologie et cancérologie	08.1 Pathologie clinique	MMR 2025 Réparation des mésappariements (IHC): MMR CAP	B	2025-10-13	MLH1 MSH2 MSH6 PMS2	60042 - Cancer colorectal; MSI (MSH, MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (immunohistochimie)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	CYCGH-25 Recherche de micro délétions et duplications génomiques - Anomalies constitutionnelles CAP	B	2025-10-13	Détection de variants dans le nombre de copies - CGH	50055 - Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	2025RRA Dépistage prénatal rapide des aneuploïdies communes GenQA	A	2025-10-13	Précision du génotypage - RRA Qualité de l'interprétation clinique - RRA Précision clérical rapport - RRA	55204 - Détection rapide des aneuploïdies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN)
Pathologie et cancérologie	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire 02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	MSI 2025 Instabilité des microsatellites: MSI CAP	B	2025-10-13	MLH1 - Statut de méthylation du promoteur Instabilité des microsatellites	55156 - Cancer du côlon; MLH1; méthylation du promoteur (TAAN) 65004 - Cancer du côlon; (instabilité des microsatellites, consensus 5 marqueurs) 65004 - Cancer du côlon; (instabilité des microsatellites, consensus 5 marqueurs)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	MHO 2025 Oncologie hématologique moléculaire: MHO CAP	B	2025-10-14	Tumeurs lymphoïdes - génomotypage	65016 - Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2) 65018 - Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2) 65020 - Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2) 65132 - Lymphome à cellule du Manteau (BCL-1) (TAAN) 65138 - Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)
Microbiologie	07.2 Microbiologie immunoserologie	PEEQM-23-25 Sérologie/Virologie - VIH LSPQ	A	2025-10-20	VIH total (Anti VIH1/2 et Ag VIH-1 (Ag p24)) Anticorps VIH1/2	40840 - VIH IgG ou Ac totaux (test rapide) 40850 - VIH IgG ou Ac totaux et Ag p24

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Génétique et Maladies héréditaires	02.4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire	SEC1-25 Séquençage conventionnel (Sanger) - Désordres constitutionnels CAP	B	2025-10-20	Précision et interprétation du génotypage - Sanger	55318 - Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger)55012 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN)55010 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN)55002 - Apolipoprotéine E; APOE (Cys112ARG et Arg158Cys) (TAAN)55014 - Lipoprotéine lipase (gène LPL) Panel 1 (Pro207Leu, Gly188Glu, Asp9Asn) (TAAN)55016 - Lipoprotéine lipase (gène LPL) Panel 2 (Asp9Asn, Asp250Asn, Asn291Ser) (TAAN)55018 - Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL (TAAN, mutation unique)55069 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique)55070 - Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (dyslipidémies familiales)55081 - Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)55126 - Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage)55174 - Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); GJB1; (séquençage, régions codantes complètes)55178 - Cirrhose nord amérindienne infantile (NAIC); CIRHIN (CIRH1A); Arg565Trp; (TAAN)55180 - Craniostose, syndrome d'Apert; FGFR2 (Ser252Trp et Pro253Arg); (TAAN)55182 - Craniostose, syndrome de Muenke; FGFR3 (Pro250Arg); (TAAN)55194 - Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-1b); MPI (Arg295His)55208 - Dysplasie ectodermique hydrotique ou syndrome de Clouston; GJB6 (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asm et Ala88Val)55209 - Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (FGFR3) (séquençage)55218 - Fibrose Kystique (FK); CFTR (séquençage, mutation individuelle)55268 - Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, mutation individuelle)55290 - Surdit� non syndromique; GJB2, GJB6; (séquençage, mutation individuelle)55302 - Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithin�mie-hyperammonin�mie-homocitrullinurie (SLC25A15:p. (cont.)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
	(cont'd)4 Diagnostic moléculaire maladie héréditaire					(cont'd)Phe188del (séquençage)55315 - Mucopolidose de type II (MLII); GNPTAB:c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle)55320 - Tyrosinémie héréditaire de type 1; FAH (14 exons) (séquençage Sanger)65034 - Dysplasie fibreuse / Syndrome de McCune-Albright, mutations aux codons Arg201 et Gln227 du gène GNAS1 (TAAN sur tissus)55198 - Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); SERPINA1 (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp)55223 - Fièvre méditerranéenne familiale (FMF); MEFV (Glu148Gln, Met680Ile, Met694Val, Met694Ile, et Val726Ala) (TAAN)55236 - Encéphalite Cree; TREX1 : Arg164Xaa, (TAAN)55238 - Leucoencéphalopathie Cree; eIF2B5: (Arg195His) (TAAN)
Pathologie et oncologie	08.1 Pathologie clinique	PM2 2025 ER / PgR (IHC): PM2 CAP	B	2025-10-27	ER IHC Interp PgR IHC Interp	60151 - Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus) 60189 - Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)
Hématologie - Banque de sang	06.0 Banque de sang générale	RBCAT-25 Phénotype (antigène) érythrocytaire - Manuel CAP	B	2025-10-27	Phénotype (antigène) érythrocytaire - Manuel	10136 - Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel) 10137 - Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)
Génétique et Maladies héréditaires	04.2 Génétique cytogénétique	CY-25 Cytogénétique - Défis virtuels CAP	B	2025-10-27	Identification anomalies chromosomiques - caryotype Nomenclature - caryotype	50649 - Caryotype villosités choriales sur technique directe 50715 - Caryotype villosités choriales après culture 50710 - Caryotype (liquide amniotique) 50711 - Caryotype (sang) 50712 - Caryotype (tissus) 50713 - Caryotype pour hémopathies (moelle et sang) 50714 - Caryotype pour tumeur solide

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	02.3 Diagnostic moléculaire infectiologie	PEEQM-16-25 Virologie - Virus respiratoires (Influenza A et B, VRS et SRAS-CoV-2) LSPQ	A	2025-11-03	Influenza A Influenza B VRS SRAS-CoV-2	45027 - Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (plateforme m2000/Alinity-m) 45028 - Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Cobas 6800/8800) 45029 - Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Seegene) 45031 - Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45033 - Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (test rapide, trousse homologuée) sur spécimen clinique 45034 - Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45048 - Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45050 - Influenza A et B; avec ou sans sous-typage incluant amplification (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique 45051 - Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45052 - Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45053 - Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique 45054 - Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique 45130 - Virus respiratoire syncytial (VRS); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique 45131 - Virus respiratoire; détection multiplex 3 virus (influenza A, influenza B et VRS) (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée sur spécimen clinique)
Pathologie et oncologie	02.1 Diagnostic moléculaire divers	2025DNAP Extraction d'ADN : tissu fixé formaldéhyde, paraffiné (FFPE) GenQA	A	2025-11-03	Quantité d'ADN extrait - FFPE Volume d'ADN extrait - FFPE Qualité de l'ADN extrait - FFPE	75008 - Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné
Hématologie - Banque de sang	05.7 Hématologie immunologie	ANA-25 Anticorps antinucléaires (ANA) CAP	C	2025-11-10	ANA - Dépistage ANA - Quantification ANA - Profils de coloration	20717 - Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution) 20719 - Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Microbiologie	07.1 Microbiologie bactériologie	PEEQM-03-25 Bactériologie - Identification et antibiogramme LSPQ	B	2025-11-10	Dépistage	40063 - Enterococcus résistant à la vancomycine (ERV) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique) 40020 - Bactérie gram négatif multirésistance (bêta-lactamase-ESBL, carbapenemase) (dépistage)
Pathologie et oncologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	NGSST 2025 Séquençage nouvelle génération - Tumeur solide NGSST CAP	B	2025-11-24	SNG Tumeur solide (sensibilité) SNG Tumeur solide (spécificité)	65003 - Cancer colorectal, KRAS, NRAS (codon 12, 13, 59, 61,117, 146), BRAF (codon 600) (SNG) 65050 - GIST: CKIT et PDGFRA (12 séquençages) 55165 - Cancer colorectal héréditaire - Panel de gènes (SNG) 65220 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer broncho-pulmonaire (SNG) 65222 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer colorectal (SNG) (Focus Panel) 65224 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de la thyroïde (SNG) (Focus Panel) 65226 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour carcinome urothélial (SNG) (Focus Panel) 65228 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour mélanomes (SNG) (Focus Panel) 65230 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour tumeur stromale gastro-intestinale (TSGI) (SNG) (Focus Panel) 65232 - Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du sein (SNG) (Focus Panel) 65233 - Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du système nerveux central (SNG) 65234 - Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour autre tumeur (SNG)
Microbiologie	07.4 Microbiologie mycologie 02.3 Diagnostic moléculaire infectiologie	PEEQM-07-25 Mycologie - Identification et antifongigramme LSPQ	C	2025-11-24	C. auris: Étape 1 - Dépistage sur gélose C. auris: Étape 2 - Identification C. auris: Dépistage par TAAN	41050 - Levures (culture spécifique) 45015 - Candida auris; dépistage (TAAN) sur spécimen clinique 41051 - Candida auris; culture spécifique (dépistage par gélose chromogénique) sur spécimen clinique

Discipline PEEQ	Sous-discipline	Sous-programme Fournisseur	Campagne	Date d'ouverture	Analytes évalués	Paramètres analytiques potentiellement couverts
Pathologie et cancérologie	02.5 Diagnostic moléculaire oncologie	SARC 2025 Translocation de sarcome: SARC CAP	B	2025-11-25	Translocation de sarcome	65040 - Fibrosarcome congénital t(12;15) (TAAN) 65130 - Liposarcome myxoïde (FUS-CHOP de la t(12;16), EWSR1-CHOP de la t(12;22)) (TAAN) 65162 - Rhabdomyosarcome alvéolaire t(1;13) t(2;13) (TAAN) 65164 - Sarcome à cellules claires ou histiocytome fibreux angiomatoïde (FUS-ATF1 de la t(12;16), EWSR1- CREB1 de la t(12;22), EWSR1-CREB1 de la t(2;22)) (TAAN) 65168 - Sarcome Ewing EWS/FL1 t(11;22) et EWS/ERG t(21;22) (TAAN) 65172 - Sarcome synovial t(x;18) (TAAN) 65196 - Tumeur desmoplasique à petites cellules EWS/WT1 (TAAN) 65030 - Dermato-Fibrosarcome (COL1A1-PDGFB de la t(17;22) (TAAN sur tissus)
Génétique et Maladies héréditaires	03.1 Dépistage prénatal	NIPT-25 Test génomique prénatal non invasif (TGPNI) CAP	B	2025-12-08	Aneuploïdie autosomale Sexe fœtal Âge gestationnel Âge maternel Aneuploïdie chromosomes sexuels	55305 - Test génomique prénatal non invasif (TGPNI)

Il n'y a pas d'activité hors programmation pour l'année 2025.